

## عنوان مقاله:

ارزیابی تنوع ژنتیکی ارقام و ژنوتیپ های بومی مختلف انگور (*Vitis vinifera*) با استفاده از نشانگرهای ISSR

## محل انتشار:

فصلنامه علوم باغبانی ایران، دوره 50، شماره 1 (سال: 1398)

تعداد صفحات اصل مقاله: 11

## نویسندگان:

میترا رازی - دانشجوی سابق دکتری، دانشکده کشاورزی، دانشگاه زنجان، زنجان، ایران

محمداسماعیل امیری - استاد، دانشکده کشاورزی، دانشگاه زنجان، زنجان، ایران

رضا درویش زاده - استاد، گروه اصلاح و بیوتکنولوژی گیاهی، دانشکده کشاورزی، دانشگاه ارومیه، ارومیه، ایران

حامد دولتی بانه - دانشیار پژوهشی، بخش تحقیقات باغبانی، مرکز تحقیقات و آموزش کشاورزی و منابع طبیعی آذربایجان غربی، سازمان تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی، ارومیه، ایران

## خلاصه مقاله:

انگور یکی از مهمترین محصولات باغی است که به دلیل ارزش اقتصادی و غذایی آن به طور گسترده کشت می شود. به منظور دستیابی به ارقام جدید با عملکرد بالا و صفات کیفی بهتر، شناسایی ارقام موجود ضروری است. برخی از گونه های وحشی انگور در معرض فرسایش ژنتیکی قرار دارند؛ لذا تعیین تنوع ژنتیکی ارقام و ژنوتیپ های وحشی انگور به منظور توسعه برنامه های اصلاحی آینده انگور دارای اهمیت بالایی می باشد. در این تحقیق تنوع ژنتیکی 75 رقم و ژنوتیپ های وحشی انگور (*Vitis vinifera* L.) با استفاده از 17 نشانگر ISSR مورد بررسی قرار گرفت. در مجموع 132 باند با استفاده از 17 نشانگر ISSR تولید شد که از این تعداد 75 باند (58/57%) چندشکل بودند. تعداد باندهای چندشکل از 2 در آغازگر UBC873 تا 7 در آغازگر UBC836 متغیر بود. تعداد آللهای موثر (Ne) از 72/1 در آغازگر UBC880 تا 18/1 در آغازگر UBC873 متغیر بود. محتوای اطلاعات چندشکل (PIC) آغازگرها بین 42/0 در آغازگر UBC880 و 14/0 در آغازگر UBC873 با میانگین 32/0 برآورد شد. گروه بندی ژنوتیپ ها به روش تجزیه خوشه ایی بر اساس ماتریس تشابه Dice و با استفاده از الگوریتم Complete ارقام مورد مطالعه را در چهار گروه قرار داد. بیشترین تشابه ژنتیکی (73/0) بین ارقام جیغ جیغا و بلک-سیدلس و همچنین بین آلفونسو و بلک سیدلس و کمترین تشابه ژنتیکی (11/0) بین ارقام دسترچین و لعل سیاه مشاهده گردید. بر اساس شاخص شباهت ژنتیکی Nei، بیشترین فاصله ژنتیکی مربوط به جمعیت های خارجی و وحشی بود. آنالیز واریانس مولکولی تنوع درون جمعیت ها و بین جمعیتی را به ترتیب 61 درصد و 39 درصد از کل تنوع نشان داد.

## کلمات کلیدی:

تنوع ژنومی، تجزیه خوشه ای، نشانگرهای مولکولی

## لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/1007187>

