

عنوان مقاله:

کمی سازی تنوع فیلوژنتیک: مکمل روش های سنتی در حفاظت از تنوع زیستی

محل انتشار:

کنفرانس ملی حفاظت از تنوع زیستی و دانش بومی (سال: 1389)

تعداد صفحات اصل مقاله: 6

نویسندگان:

سامره فلاحتکار - دانشجوی دکترای محیط زیست، پژوهشکده محیط زیست، جهاد دانشگاهی

محمد صادق علوی یگانه - دانشجوی دکترای شیلات، دانشکده منابع طبیعی، دانشگاه تربیت مدرس

مکرم روان بخش - مدیر گروه محیط زیست طبیعی، پژوهشکده محیط زیست، جهاد دانشگاهی

خلاصه مقاله:

تنوع فیلوژنتیک، تنوع مورفولوژیکی گونه ها را بر پایه توارث تکاملی بیان می کند، در نتیجه، انقراض گونه هایی که با هیچ یک از موجودات زنده ارتباط خویشاوندی نزدیکی ندارند از نظر تکاملی و تنوع ژنتیکی نسبت به انقراض گونه هایی که ارتباطات بسیار نزدیکی با هم دارند اهمیت بیشتری دارد. روش های متعددی برای این امر وجود دارد. در روش محاسبه تنوع فیلوژنتیک توسط Rodrigues و Gaston به ماتریس نشان دهنده توزیع شاخه ها در هر جنس و ماتریس طول شاخه ها نیاز است. حضور و عدم حضور هر جنس در شاخه مورد نظر به ترتیب با استفاده از 1 و 0 نشان داده می شود. سپس از حاصلضرب توزیع شاخه ها در ماتریس طول شاخه ها تنوع فیلوژنتیک محاسبه می شود. در روشی که Palsky به کار گرفته است برای تمامی آرایه ها نرخ ثابتی از تغییرات DNA در درخت فیلوژنتیک فرض می شود. وی پیشنهاد می کند، تنوع فیلوژنتیک گروهی از جنسها، از طریق جنع طول تمامی شاخه های مربوط بین جنس ها بدون شمارش مجدد آن شاخه ها محاسبه می شود. در نهایت می توان از تنوع فیلو ژنتیک محاسبه شده برای الویت بندی مناطق حفاظت شده بهره برد.

کلمات کلیدی:

تنوع زیستی، تنوع فیلوژنتیک، مناطق حفاظت شده

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/103177>

