

## عنوان مقاله:

بهبود دسته بندی سرطان ریه با استفاده از دسته بند جنگل تصادفی

## محل انتشار:

سومین همایش ملی مهندسی برق کامپیوتر و فناوری اطلاعات (سال: 1389)

تعداد صفحات اصل مقاله: 5

## نویسندگان:

سوده توسلی - گروه کامپیوتر دانشگاه آزاد اسلامی واحد لاهیجان

محمد صنیعی اباده - دانشکده برق الکترونیک و رایانه دانشگاه تربیت مدرس تهران

## خلاصه مقاله:

شناسایی دقیق سرطان به امید درمان بیماران که از این بیماری سخت رنج می برند بسیار کمک می کند امروزه میکروارایه های DNA به دانشمندان اجازه نمایش هزاران ژن را بطور شبیه سازی شده داده اند و همچنین می توانند آن ژنهایی که فعال، فرافعال یا آرام هستند را در بافتهای سرطانی یا نرمال شناسایی کنند انتخاب ژن شناسایی ژن های مهم شاخص تحت شرایط متفاوت است تحلیل داده های میکروارایه برای درگیر شدن با تعداد زیادی ژن در مقابل تعداد نسبتا کم نمونه ها معروف است برای مقابله با این مشکل در این مقاله روشی پیشنهاد شده است که از یکسو برای کاهش چند بعدی پایگاه داده ژن ها مناسب است و از سوی دیگر به بالا بردن دقت دسته بندی نمونه های سرطان کمک می کند در این مقاله برای رسیدن به هدف شناسایی دقیق و سریع سرطان ابتدا پایگاه داده آموزشی به دسته های ژن 2000 تایی بطور ترتیبی تقسیم می شود دقت دسته بندی توسط الگوریتم جنل تصادفی به دست آمده و توسط روش ترکیبی انتخاب ژن GA-Cfs برای هر دسته تعداد ژن ها کاهش داده می شود

## کلمات کلیدی:

انتخاب ژن Cfs، دسته بندی سرطان، جنگل تصادفی، الگوریتم stacking، سرطان ریه

## لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/106070>

