

عنوان مقاله:

بررسی ژنتیک جمعیت، فیلوژنی و تعیین خط شناسه DNA در لاک پشت سبز (Chelonia mydas) دریای عمان، سواحل استان سیستان و بلوچستان

محل انتشار:

فصلنامه محیط زیست جانوری، دوره 12، شماره 4 (سال: 1399)

تعداد صفحات اصل مقاله: 11

نویسندگان:

سید احسان حیدری - گروه زیست شناسی دریا، دانشکده منابع طبیعی و محیط زیست، واحد واحد علوم و تحقیقات تهران، دانشگاه آزاد اسلامی، تهران، ایران

محمد حسن شاه حسینی - گروه زیست شناسی دریا، دانشکده منابع طبیعی و محیط زیست، واحد واحد علوم و تحقیقات تهران، دانشگاه آزاد اسلامی، تهران، ایران

هادی میراحمدی - گروه انگل شناسی، دانشگاه علوم پزشکی زاهدان، زاهدان، ایران

پرگل قوام مصطفوی - گروه زیست شناسی دریا، دانشکده منابع طبیعی و محیط زیست، واحد واحد علوم و تحقیقات تهران، دانشگاه آزاد اسلامی، تهران، ایران

سید محمدرضا فاطمی - گروه زیست شناسی دریا، دانشکده منابع طبیعی و محیط زیست، واحد واحد علوم و تحقیقات تهران، دانشگاه آزاد اسلامی، تهران، ایران

خلاصه مقاله:

در گذشته از صفات مورفولوژیکی برای طبقه بندی موجودات استفاده می کردند، اما امروزه استفاده از نشانگرهای مولکولی به دلیل مزیت هایی که دارد مورد توجه قرار گرفته است. نشانگرهای میتوکندریایی یکی از بهترین گزینه ها در بررسی روابط فیلوژنتیک است. در این مطالعه ۱۰ نمونه از لاک پشت دریایی سبز از سه منطقه چابهار ۴ نمونه، گواتر ۳ نمونه و کنارک ۳ نمونه در استان سیستان و بلوچستان جمع آوری شد. پس از استخراج DNA با استفاده از کیت استخراج و هم چنین روش استخراج استات آمونیوم، نمونه ها از قطعه ژنی mtDNA و COI توالی یابی شدند. توالی ها به کمک نرم افزارهای MEGA، Bioedit و Arlequin بررسی شدند. نتایج نشان داد که براساس آنالیز فیلوژنتیکی جمعیت مورد مطالعه، نمونه ها در سه جمعیت قرار گرفتند. میانگین کلی فاصله در میان جمعیت براساس P-distance برابر با ۰/۱۸ بود. نتایج کلاستال دابلو نشان داد که بیش ترین تفاوت میان توالی ها مربوط به ابتدا و انتهای توالی است. میزان تنوع هاپلوئیدی صفر بود. هم چنین تعداد محل های پلی مورفیک برابر با صفر بود که نشان می دهد تفاوت به اندازه ای نبوده که اشتقاق گونه انجام شود. هیچ نوترکیبی در توالی ها رخ نداده که با ماهیت ناحیه مورد بررسی هم خوانی داشته باشد. نتایج حاصل از این مطالعه را می توان در بررسی تنوع ژنتیکی لاک پشت های سبز دریایی در شرایط متفاوت جغرافیایی مورد استفاده قرار داد. هم چنین در مدیریت جمعیت این گونه، جلوگیری از انقراض آن و در تهیه یک بانک ژنی مناسب برای شناسایی این گونه به کمک تکنیک های مولکولی به ویژه در مواردی که فقط تخم یا بافت این گونه موجود است نیز می تواند یک راهکار مناسب باشد.

کلمات کلیدی:

ژنتیک جمعیت، فیلوژنی، لاک پشت دریایی، دریای عمان

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/1302723>



