

## عنوان مقاله:

اکتشاف چندشکلی های تک نوکلئوتیدی با استفاده از تکنیک نوین RAD-seq در مطالعات ژنتیکی و جمعیتی آبزیان

## محل انتشار:

دومین همایش ملی علوم و فناوری های نوین در آبزیان (سال: 1396)

تعداد صفحات اصل مقاله: 11

## نویسندگان:

امیررضا عابدعلم دوست - استادیار گروه شیلات دانشکده منابع طبیعی دانشگاه تهران

روح اله رحیمی - استادیار گروه شیلات و زمین شناسی دانشگاه شهرکرد

## خلاصه مقاله:

یکی از کارآمدترین نشانگرهای مولکولی برای مطالعه تفاوت های ژنتیکی افراد و جمعیت ها به منظور و اهداف مختلف، چندشکلی تک نوکلئوتیدی (SNP) است که امروزه مورد علاقه محققان قرار گرفته است. در مطالعات جمعیتی اکتفا به بررسی چندشکلی های تک نوکلئوتیدی در یک یا چند لوکوس خاص، برآورد دقیقی را از تفاوت های جمعیتی و وقایع زیست محیطی دخیل در این تفاوت ها در اختیار قرار نمی دهد لذا رویکرد سراسر ژنومی بررسی چند شکلی های تکنوکلئوتیدی مورد علاقه محققین سراسر جهان است. توالی یابی سراسر ژنوم رویکردی بسیار پرهزینه است که در نهایت به استفاده از تکنیک های کاهش پیچیدگی با قیمتی ارزان منتهی شده که امروزه بسیار مورد استفاده قرار می گیرند. یکپاز جدیدترین تکنیک های کاهش پیچیدگی که از نگاه محققان در زمینه آبزیان خصوصا محققان ایرانی مغفول مانده است، RAD-seq می باشد که در مقاله مروری حاضر به معرفی آن می پردازیم.

## کلمات کلیدی:

،RAD-seq، SNP، نسل جدید توالی یابی

## لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/1326324>

