

## عنوان مقاله:

عملکرد پروتئین های SARS- COV-۲

## محل انتشار:

پنجمین کنفرانس بین المللی ایمنی و بهداشت (سال: 1400)

تعداد صفحات اصل مقاله: 15

## نویسندگان:

امیررضا خلجی - دانشجوی دکتری عمومی، دانشگاه علوم پزشکی تبریز، مرکز تحقیقات گوارش

یلدا یزدانی - دانشجوی دکتری عمومی، دانشگاه علوم پزشکی تبریز، بیمارستان امام رضا، مرکز تحقیقات طب فیزیکی و توانبخشی

ثمین رحیمی - کارشناسی ارشد ژنتیک، گروه زیست شناسی، دانشگاه مراغه

## خلاصه مقاله:

سندرم (SARS- COV-۲) Coronavirus ۲؛ که در نهایت منجر به بیماری کروناویروس ۲۰۱۹ می شود، به عنوان یک بیماری کشنده و اپیدمی در سال ۲۰۲۰ به رسمیت شناخته شده است. SARS-COV-۲ یک ویروس RNA با انتی سنس مثبت است که متعلق به خانواده بتا-کرونا از ویروس ها است. ژنوم این ویروس حدود ۳۰ کیلوبایت و ۱۶ پروتئین غیر ساختاری (NSP1-۱۶)، چهار پروتئین ساختاری (S، E، M، N) و ۹ پروتئین جانبی توسط ژنوم آن کدگذاری می شوند که در بقا و پاتوژنز بودن این ویروس دخیل هستند. به منظور تولید داروها و واکسن برای SARS-COV-۲، ضروری است که ساختار ژنومی ویروس و عملکرد پروتئین های آن را کاملا درک کنیم. برای این منظور، این بررسی، خواص عملکردی پروتئین های SARS-COV-۲ را که به روز گزارش شده، جمع آوری و بررسی می کند.

## کلمات کلیدی:

کروناویروس ۲۰۱۹، خواص عملکردی، واکسن کرونا، ساختارکرونا

## لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/1428289>

