

عنوان مقاله:

مروری بر مطالعات انجام شده بر روی تنوع ژنتیکی ۳۰ گونه حیات وحش ایران با استفاده از نشانگرهای مولکولی ، D-loop ، NADH ۵ ، توالی ژن Cytb ، بیواکوستیک و شناسایی گونه ها

محل انتشار:

دومین همایش ملی توسعه پایدار خلیج فارس: محیط زیست بر مناطق ساحلی (سال: 1401)

تعداد صفحات اصل مقاله: 17

نویسندگان:

محمدصادق کریمی - دانشجوی کارشناسی ارشد علوم و مهندسی محیط زیست، دانشگاه فردوسی مشهد،

فاطمه طباطبایی یزدی - استادیار گروه علوم و مهندسی محیط زیست، دانشگاه فردوسی مشهد د

خلاصه مقاله:

ایران کشوری پهناور که به دلیل تنوع توپوگرافی و اقلیمی از تنوع زیستی بالایی برخوردار است. یکی از سطوح تنوع زیستی، ژن می باشد که بررسی تنوع ژنی در امر حفاظت از گونه ها امری ضروری به شمار می رود. تنوع ژنتیکی از مهمترین خصوصیات تنوع زیستی است که از ملزومات برای سازگاری گونه ها در محیط های جغرافیایی می باشد. می توان از ژنتیک در کنار مطالعات مورفومتری و روش های ریخت شناسی تنوع گونه ها را مورد بررسی قرار داد. امروزه با پیشرفت بوم شناسی مولکولی و استفاده از نشانگرهای مولکولی، تحلیل درخت فیلوژنتیکی می توان ساختار و تنوع ژنتیکی گونه های حیات وحش را بررسی کرد. در این مقاله به مرور مطالعات انجام شده بر روی ساختار و تنوع ژنتیکی گونه ها با استفاده از نشانگرهای مولکولی، کاربرد روش بیواکوستیک در شناسایی گونه ها و همچنین وضعیت تنوع ژنتیکی ۳۰ گونه جانوری حیات وحش ایران اعم از بومی و غیر بومی در رده های پستانداران، پرندگان، ماهی ها و خزندگان پرداخته شده است.

کلمات کلیدی:

تنوع ژنتیکی- نشانگرهای مولکولی- D-loop میتوکندریایی- حیات وحش ایران - آنالیز ND۵

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/1459507>

