

عنوان مقاله:

ردیابی و تعیین خصوصیات مولکولی جدایه های ایرانی ۱-Fig badnavirus بر اساس ژن تولید کننده آنزیم پروتئاز

محل انتشار:

مجله آفات و بیماریهای گیاهی، دوره 84، شماره 1 (سال: 1395)

تعداد صفحات اصل مقاله: 12

نویسندگان:

اطهر علیشیری - دانشجوی دکتری

فرشاد رخشنده رو - عضو هیئت علمی دانشگاه آزاد اسلامی واحد علوم و تحقیقات تهران

غلامرضا صالحی جوزانی - پژوهشگر-عضو هیات علمی

مسعود شمس بخش - عضو هیئت علمی دانشگاه تربیت مدرس

خلاصه مقاله:

بادنا ویروس یک انجیر (۱- Fig badnavirus) متعلق به خانواده Caulimoviridae و جنس Badnavirus و یکی از شایع ترین عوامل ویروسی همراه با بیماری موزائیک انجیر در انجیرکاری های جهان می باشد. طی فصول زراعی سال های ۱۳۹۱ تا ۱۳۹۳، در مجموع تعداد ۳۹۲ نمونه برگ علائم دار و بدون علائم ویروسی از انجیر کار های مختلف موجود در ۹ استان کشور جمع آوری شد. نمونه ها توسط آزمون سرولوژیکی (Dot Immunobinding Assay (DIBA و با استفاده از آنتی سرم اختصاصی ویروس موزائیک انجیر مورد بررسی قرار گرفتند. وجود ویروس در نمونه های آلوده توسط آزمون های مولکولی مورد تایید قرار گرفت. برای این منظور، DNA کل از نمونه های آلوده استخراج و با استفاده از آغازگر اختصاصی برای ژن پروتئاز، قطعه ای به طول تقریبی ۱۰۵۵ جفت باز تکثیر شد. بمنظور بررسی تنوع ژنتیکی جدایه ها، محصول پی سی آر نمونه های آلوده به ۱-FBV توسط آنزیم EcoRI در آزمون RFLP مورد هضم آنزیمی قرار گرفتند. پس از مشخص شدن توالی نوکلئوتیدی منطقه تکثیر شده ۹ جدایه ۱-FBV مربوط استان های مختلف، توالی های با رس شمارهای ۳۱۴۹۳۲-۴۰ KU در بانک ژن ثبت شدند. نتایج همردیف سازی توالی ها نشان داد جدایه های ایرانی در هر یک از سطوح نوکلئوتیدی یا اسید آمینه ای به میزان ۹۹-۹۸٪ مشابه بودند. در بررسی تبارزایی بر مبنای توالی نوکلئوتیدی جدایه های مورد بررسی در دو گروه قرار گرفتند و جدایه های ایرانی مستقل از جدایه آمریکا در گروه مجزا قرار گرفتند. فیلوژنی بر مبنای توالی اسید آمینه درخت فیلوژنتیکی متفاوتی را نشان داد

کلمات کلیدی:

ردیابی، بادنا ویروس یک انجیر، تبارزایی

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/1516646>

