

## عنوان مقاله:

تعیین فراوانی ژن CTX-M در ایزوله های سودوموناس آئروژینوزای تولید کننده بتالاکتامازهای وسیع الطیف (ESBLs)، در نمونه های بالینی بیمارستان طالقانی اهواز، سال ۱۳۹۴

## محل انتشار:

مجله دانشگاه علوم پزشکی قم، دوره 11، شماره 6 (سال: 1396)

تعداد صفحات اصل مقاله: 9

## نویسندگان:

آمنه عالمی - Ahvaz Jundishapur University of Medical Sciences

رباب رحیمی - Ahvaz Jundishapur University of Medical Sciences

حسین مقدادی - Ahvaz Jundishapur University of Medical Sciences

## خلاصه مقاله:

زمینه و هدف: سودوموناس آئروژینوزا یک پاتوژن بسیار مهم در عفونت های بالینی بوده که دارای مکانیسم های گوناگون مقاومت به آنتی بیوتیک است. بتالاکتام های وسیع الطیف (ESBLs) نیز یک مکانیسم ضد آنتی بیوتیکی بسیار مهم در این باکتری می باشند. این مطالعه با هدف تعیین فراوانی ژن CTX-M در ایزوله های سودوموناس آئروژینوزای تولید کننده بتالاکتامازهای وسیع الطیف در نمونه های بالینی انجام شد. روش بررسی: این مطالعه از نوع مقطعی - توصیفی بود. ۱۱۰ سودوموناس آئروژینوزا از نمونه های بالینی، جمع آوری و بعد از تایید به وسیله تست های بیوشیمیایی و تست حساسیت آنتی بیوتیکی، به روش دیسک دیفیوژن انجام شد. برای تایید بتالاکتامازهای وسیع الطیف، روش دیسک ترکیبی برای آنها انجام شد و سپس ژن CTX-M به روش PCR مورد شناسایی قرار گرفت. یافته ها: تمام ایزوله ها به کولیسیتین سولفات حساس بودند و بیشترین مقاومت مربوط به آنتی بیوتیک های سفنازیدیم و جنتامایسین با ۹/۸۰٪ و ۸۰٪ بود. ۹۳ ایزوله (۵/۸۴٪)، به سه کلاس مختلف آنتی بیوتیکی مقاوم بودند. همچنین ۱۹ نمونه (۳/۱۷٪)، بتالاکتامازهای وسیع الطیف (ESBL) تولید می کرد و ۴ نمونه (۱/۲۱٪) دارای ژن CTX-M بود. نتیجه گیری: نتایج این مطالعه، گستردگی زیاد مقاومت آنتی بیوتیکی در بین ایزوله های سودوموناس آئروژینوزا را نشان داد، که نیاز به ایجاد برنامه های مدون در کنترل و درمان این پاتوژن قدرتمند را بیش از پیش تاکید می کند.

## کلمات کلیدی:

Pseudomonas aeruginosa, beta-lactamases, Polymerase chain reaction, Escherichia coli protein  
سودوموناس آئروژینوزا، بتالاکتام ها، واکنش زنجیره ای پلیمرز، پروتئین اشرشیاکلی

## لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/1536334>

