

عنوان مقاله:

(Evaluation of COI and ITS₂ sequences ability to distinguish *Lysiphlebus fabarum* and *Lysiphlebus confusus* (Hymenoptera: Aphidiidae

محل انتشار:

نامه انجمن حشره شناسی ایران، دوره 31، شماره 2 (سال: 1390)

تعداد صفحات اصل مقاله: 14

نویسندگان:

M. M. Sohani

J. Hajizadeh

R. Hosseini

S. Rahimi

خلاصه مقاله:

زنبورهای پارازیتوئید جنس *Lysiphlebus* Förster پارازیتوئید انفرادی- داخلی شته ها هستند و از لحاظ تاکسونومیکی یکی از گروه های بسیار مشکل و ناشناخته محسوب می شوند. هدف اصلی این مطالعه استفاده از توالی قسمتی از ناحیه ی ژنی COI و ITS₂ برای تفکیک دو گونه ی نزدیک به هم *L. fabarum* (Marshall) و *L. confusus* Tremblay & Eady جمع آوری شده از ایران است. داده های مولکولی به دست آمده از توالی یابی ناحیه ی COI نشان داد، این ژن قادر به تفکیک دو گونه ی فوق نیست و این گونه ها دارای شباهت بسیار زیاد (۵/۹۹٪) در توالی COI هستند. داده های مولکولی به دست آمده از توالی یابی ناحیه ی ریبوزومی ITS₂ تنوع بیشتری را در بین این دو گونه نشان داد. تشابه موجود در این ناحیه ی ژنی ۵/۹۸-۵/۹۶٪ بود. علی رغم اهمیت DNA بارکدینگ، نواحی ژنی مورد استفاده در این مطالعه توانایی کافی در شناسایی و تفکیک دو گونه ی نزدیک به هم را نداشتند.

کلمات کلیدی:

DNA، COI، DNA بارکدینگ، ITS₂، میتوکندریایی، DNA ریبوزومی، *Lysiphlebus confusus*، *Lysiphlebus fabarum*

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/1588005>

