

## عنوان مقاله:

تنوع ژنتیکی شترهای شمال استان کرمان با استفاده از نشانگرهای ریزماهواره

## محل انتشار:

مجله تحقیقات تولیدات دامی، دوره 4، شماره 1 (سال: 1394)

تعداد صفحات اصل مقاله: 11

## نویسندگان:

مهرداد قاسمی میمندی - دانشجوی کارشناسی ارشد گروه علوم دامی، دانشکده کشاورزی، دانشگاه شهید باهنر کرمان

محمدرضا محمدآبادی - دانشیار گروه علوم دامی، دانشکده کشاورزی، دانشگاه شهید باهنر کرمان

علی اسمعیلی زاده کشکویی - استاد گروه علوم دامی، دانشکده کشاورزی، دانشگاه شهید باهنر کرمان

## خلاصه مقاله:

در این پژوهش تنوع ژنتیکی جمعیت شترهای یک کوهانه شمال استان کرمان با استفاده از پنج جفت نشانگر ریزماهواره‌ای  $YWLL08$ ،  $YWLL38$ ،  $VOLP03$ ،  $VOLP08$  و  $CVR01$  مطالعه شد. از شترهای شهرستان‌های شهربابک، رفسنجان و راور تعداد ۸۱ نمونه خون (۵ جمعیت) گرفته شد. DNA به روش فنل کلروفورم استخراج و PCR انجام شد. جایگاه‌های  $YWLL08$  با آلل ۱۴ و جایگاه  $CVR01$  با ۵ آلل به ترتیب بیشترین و کمترین تعداد آلل واقعی و نیز این جایگاه‌ها با ۵۴/۱۰ و ۳۵/۴ آلل به ترتیب بیشترین و کمترین آلل موثر را نشان دادند. بیشترین میزان هتروزیگوسیتی مورد انتظار در جایگاه  $YWLL08$  (۹۱۰۸/۰) و کمترین آن مربوط به جایگاه  $CVR01$  (۷۷۵۴/۰) بود. تمامی جایگاه‌های مورد بررسی در این جمعیت انحراف از تعادل هاردی واینبرگ را نشان دادند. محتوای اطلاعات چندشکلی در دامنه ۷۸۰۱/۰-۹۱۶۵/۰ به دست آمد. مقادیر شاخص تثبیت برای نشانگرهای  $YWLL08$ ،  $VOLP03$ ،  $YWLL38$  و  $VOLP08$  به ترتیب ۰/۳۶، ۰/۸۹، ۰/۷۳، ۰/۴۶، ۰/۵۴ و ۰/۵۶ به دست آمد که نشان‌دهنده تمایز خیلی زیاد بین جمعیت‌ها است. نتایج نشان داد که جمعیت شترهای شمال استان کرمان تنوع ژنتیکی نسبتاً بالایی دارند که همین امر یکی از مهم‌ترین دلایل سازگاری آنها به تغییرات شدید محیطی کرمان است. لذا ضروری است این تنوع ژنتیکی و این دام با ارزش را حفظ نمود.

## کلمات کلیدی:

تنوع ژنتیکی، شتر یک کوهانه، نشانگرهای ریزماهواره

## لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/1607412>

