

عنوان مقاله:

بررسی فیلوژنتیک برخی گونه های *Puccinia* بر اساس نشانگر ITS

محل انتشار:

هفتمین کنفرانس بین المللی پژوهش های نوین در مهندسی کشاورزی، محیط زیست و منابع طبیعی (سال: 1402)

تعداد صفحات اصل مقاله: 7

نویسندگان:

محسن براری - دانشجوی کارشناسی ارشد بیماریشناسی گیاهی، گروه گیاه پزشکی، دانشکده علوم زراعی، دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی ساری، ساری، ایران

محمدعلی تاجیک قنبری - دانشیار، گروه گیاهپزشکی، دانشکده علوم زراعی، دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی ساری، ساری، ایران

خلاصه مقاله:

قارچ های جنس *Puccinia* مهمترین عامل بیماری های زنگ در گیاهان مختلف میباشند. درک روابط فیلوژنتیکی در میان گونه های *Puccinia* برای مدیریت موثر بیماری و توسعه استراتژی های کنترل هدفمند بسیار مهم است. در این مطالعه، یک بررسی فیلوژنتیک یکی از برخی گونه های جنس *Puccinia* با استفاده از نشانگر Internal Transcribed Spacer (ITS) انجام شد. به این منظور، توالی ۱۸ ایزوله از ۶ گونه *Puccinia* از پایگاه داده NCBI انتخاب شد. این توالی ها با استفاده از نرم افزار Align ، MEGA۱۱ و سپس با روش Maximum Likelihood و بوت استرپ ۳۰۰، درخت فیلوژنی آن ترسیم شد. با بررسی درخت فیلوژنی بهنکات متعددی می توان پی برد، از جمله میتوان به تشابه بالای ژنتیکی گونه *P. Persistens* با گونه *P. tritricina* (عامل بیماری زنگ قهوه های گندم) اشاره کرد، که نیازمند تحقیقات گسترده تری با استفاده از نشانگرهای بیشتر و بررسی مورفولوژیک است. همچنین، تفاوت بین ایزوله های گونه *P. striiformis* جمع-آوری شده از قاره آمریکا با قاره آسیا قابل توجه است. این، میتواند نشان دهنده تاثیر اقلیم جغرافیایی روی توالی ژنتیکی ایزوله ها باشد که نیاز به بررسی بیشتر دارد.

کلمات کلیدی:

تنوع ژنتیکی، ناحیه ۵.۸ ریبوزومی، درخت فیلوژنی، زنگ

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/1734101>

