

عنوان مقاله:

بررسی تنوع ژنتیکی جمعیت های مختلف کفشدوزک (*Cryptolaemus montrouzieri* Mulsant) (Coleoptera: Coccinellidae) در استان مازندران با استفاده از نشانگر مولکولی RAPD

محل انتشار:

فصلنامه تحقیقات آفات گیاهی، دوره 4، شماره 3 (سال: 1393)

تعداد صفحات اصل مقاله: 10

نویسندگان:

سمانه بامهر
محمود محمدی شریف
علیرضا هادیزاده
جواد کریمی

خلاصه مقاله:

کاربرد موفقیت آمیز عوامل کنترل بیولوژیک و استقرار مناسب جمعیت های آن ها در مناطق مختلف نیازمند آگاهی از جنبه های مختلف زیستی این گونه ها است. کفشدوزک *Cryptolaemus montrouzieri* موثرترین دشمن طبیعی شپشک های آردآلود در باغ های مرکبات و چایکاری های استان مازندران است. هدف این تحقیق توصیف تنوع ژنتیکی این گونه با استفاده از نشانگر RAPD در هشت جمعیت طبیعی و دو جمعیت پرورش تجارتي آن بود. در آزمایش ها از ۲۲ آغازگر ده نوکلئوتیدی RAPD استفاده شد. پس از بهینه سازی شرایط واکنش PCR (دمای اتصال ۳۸°C بمدت یک دقیقه) و انجام آزمایش ها روی تمام جمعیت ها، محصولات با استفاده از ژل آگارز دو درصد الکتروفورز شدند. این آغازگرها در مجموع ۴۳۴ نوار قابل امتیازدهی تولید کردند که ۳۳۴ نوار (۹/۷۶ درصد) چند شکلی نشان دادند. شباهت ژنتیکی میان جمعیت ها از ۴۸/۰ (جمعیت های تنکابن و فریدونکنار) تا ۷۸/۰ (جمعیت های چالوس و اینسکتاریوم بهشهر) متغیر بود. در نتیجه گروه بندی جمعیت ها با روش UPGMA و با استفاده از نرم افزار NTSYS-PC، جمعیت های مورد بررسی در دو گروه دسته بندی شدند. در گروه اول جمعیت های بابلسر، رامسر، ساری، تنکابن، چالوس و نمونه ی انسکتاریوم بهشهر قرار داشته و گروه دوم شامل جمعیت های جمع آوری شده از شهرهای قائمشهر، سوادکوه و فریدونکنار به همراه نمونه ی انسکتاریوم بابل بود. بر مبنای ضریب تفکیک دندروگرام حاصل، جمعیت های مورد مطالعه تمایز متوسطی داشتند.

کلمات کلیدی:

ساختار ژنتیکی، نشانگرهای مولکولی، کنترل زیستی، استان مازندران

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/1737735>

