

عنوان مقاله:

شناسایی جهش های موجود در ژن نورآمینیداز ویروس های آنفلوانزا A/H3N2 در نمونه های استان مازندران طی سال های ۱۳۹۵ لغایت ۱۳۹۷

محل انتشار:

مجله دانشگاه علوم پزشکی مازندران، دوره 32، شماره 216 (سال: 1401)

تعداد صفحات اصل مقاله: 10

نویسندگان:

مهدی ربیعی رودسری - MSc Student in Virology, Faculty of Medicine, Golestan University of Medical Sciences, Gorgan, Iran

مهدی حق شناس - Medical Student, Faculty of Medicine, Iran University of Medical Sciences, Tehran, Iran

عبدالوهاب مرادی - Professor, Department of Microbiology and Virology, Faculty of Medicine, Golestan University of Medical Sciences, Gorgan, Iran

هادی رضوی نیکو - Assistant of Professor, Department of Microbiology and Virology, Faculty of Medicine, Golestan University of Medical Sciences, Gorgan, Iran

محمدرضا حق شناس - Professor, Department of Virology and Microbiology, Drug Resistance Research Center, Mazandaran University of Medical Sciences, Sari, Iran . Faculty of Medicine, Mazandaran University of Medical Sciences, Sari, Iran

خلاصه مقاله:

سابقه و هدف: بیماری آنفلوانزا یکی از عفونت های ویروسی دستگاه تنفسی است که هر ساله باعث مرگ در گروه های پر خطر می شود. تغییرات ژنومی ویروس آنفلوانزا آن را مستعد مقاومت دارویی می کند، بنابراین نظارت مداوم به منظور آگاهی از اثربخشی داروهای موجود بسیار احساس می شود. در مطالعه حاضر شناسایی جهش های موجود در ویروس آنفلوانزای A/H3N2 در نمونه های استان مازندران از سال ۱۳۹۵ لغایت ۱۳۹۷ مورد بررسی قرار گرفته است. مواد و روش ها: از بین نمونه های بیماران مبتلا به آنفلوانزا بستری در بیمارستان های استان مازندران، ۲۰ نمونه تایید شده H3N2 وارد مطالعه شدند. با استفاده از پرایمرهای طراحی شده، تست های PCR و الکتروفورز در ناحیه ای از ژن نورآمینیداز که حاوی موتاسیون های مورد نظر بوده است، انجام شد. سپس محصول PCR جهت مشخص شدن موتاسیون ها تعیین سکانس شد. یافته ها: در مجموع ۵۷ جهش در سطح نوکلئوتیدها شناسایی گردید که در این میان ۱۹ جهش در تمام ایزوله ها، ۱۳ جهش در اکثر ایزوله ها و ۲۵ جهش بصورت انفرادی در برخی از ایزوله ها مشاهده گردید. در مجموع ۲۸ جهش در سطح اسیدآمینو شناسایی گردید که در این میان ۱۳ جهش در تمام ایزوله ها، ۶ جهش در اکثر ایزوله ها و ۹ جهش به صورت انفرادی در برخی از ایزوله ها مشاهده گردید. استنتاج: با وجود حفاظت شده بودن توالی ناحیه اکتیو سایت در ساب تایپ های مختلف از ژن نورآمینیداز این ناحیه همچنان دستخوش موتاسیون و تغییرات ژنومی قرار دارد که نشان دهنده تغییرات در ناحیه اکتیو سایت ژن نورآمینیداز می باشد.

کلمات کلیدی:

Influenza A, drug resistance, A/H3N2, mutation, آنفلوانزا تایپ A, مقاومت دارویی, A/H3N2, موتاسیون

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/1784579>



