

عنوان مقاله:

بررسی تغییر ژنتیکی در انکوژن pre-miR-27a و همراهی آن با ریسک سرطان سینه و متاستاز

محل انتشار:

مجله دانشگاه علوم پزشکی مازندران، دوره 27، شماره 152 (سال: 1396)

تعداد صفحات اصل مقاله: 11

نویسندگان:

بنت الهدی شکاری - MSc Student in Genetics, Islamic Azad University, Shahrekord Branch, Shahrekord, Iran

سمیه رئیسی - Assistant Professor, Department of Genetics, Faculty of Basic Sciences, University of Shahrekord, Shahrekord, Iran

خلاصه مقاله:

سابقه و هدف: MicroRNA (miRNAs) ها یک دسته از RNA های غیر کد کننده می باشند که در تنظیمات ژنی انکوژن ها و مهارکننده های تومور نقش دارند. پلی مورفیسم های تک نوکلئوتیدی (SNPs) در ژن های miRNA می تواند با ریسک سرطان همراه باشد. یک SNP مهم در pre-miR-27a (rs895819) با تغییر A به G در لوپ انتهایی آن شناسایی شده است. مطالعات مختلف نقش این SNP را در ریسک سرطان نشان داده اند، با این وجود نتایج این مطالعات متناقض می باشد. هدف از این مطالعه بررسی همراهی rs895819 در miR-27a با استعداد به سرطان سینه بوده است. مواد و روش ها: در این مطالعه مورد-شاهدی، 120 بیمار با سرطان سینه و 120 فرد سالم که از نظر سنی و منطقه جغرافیایی با هم مطابقت داشتند وارد شدند. برای تعیین ژنوتیپ، از روش واکنش زنجیره ای پلیمرز و پلی مورفیسم طولی قطعات محدود شونده (PCR-RFLP) استفاده شد و سپس نتایج با روش تعیین توالی مستقیم تایید شد. به دنبال آن فرکانس آلی و ژنوتیپی برای SNP بوسیله آنالیز آماری مورد بررسی قرار گرفت (SPSS V.20). یافته ها: در مقایسه با هموزیگوت AA، نمونه های دارای ژنوتیپ AG/GG به صورت معناداری استعداد ابتلا به سرطان سینه را کاهش می دهد (OR=0.504، CI 95% = 0.30-0.84). فراوانی آلل G برای تغییر rs895819 برابر با 1/20 درصد در بیماران با سرطان سینه و 30 درصد برای افراد کنترل می باشد، که ریسک کاهش یافته برای سرطان سینه را نشان می دهد: (OR=0.45، CI 95% = 0.31-0.64) vs [A]: OR=0.61، CI 95% = 0.45-0.84) vs [G] (P=0.21) به علاوه بررسی سن نشان داد که اثر حفاظتی عمدتا در گروه سنی زیر 45 سال آشکار می شود (= [AA]: vs [AG+GG] OR=0.01، CI 95% = 0.00-0.45، OR=0.205، P=) در حالی که هیچ اثر معنی داری در گروه سنی بالاتر از 45 سال مشاهده نشد. هیچ گونه همراهی بین پلی مورفیسم و متاستاز و فاکتور HER2 مشاهده نشد. استنتاج: مطالعه حاضر اثبات کرد که rs895819 در hsa-miR-27a با کاهش ریسک در سرطان سینه، بویژه در افراد جوانتر همراه می باشد. بنابراین ممکن این فاکتور به صورت بالقوه به عنوان یک بیومارکر ژنتیکی برای غربالگری بیماری مفید باشد.

کلمات کلیدی:

breast neoplasms, SNP, miR-27a, oncogene, سرطان سینه, miR-27a, SNP, انکوژن

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/1786856>



