

## عنوان مقاله:

در سوبه های بالینی اشرشیا CTX-M- شیوع ژن بتالاکتاماز ۱۵ PCR کلی توسط روش

## محل انتشار:

مجله دانشگاه علوم پزشکی مازندران، دوره 24، شماره 116 (سال: 1393)

تعداد صفحات اصل مقاله: 5

## نویسندگان:

سمیه پارسانیا - Faculty of Sciences, Alzahra University, Tehran, Iran

محمد سهراب پور - Faculty of Sciences, Islamic Azad University, Zanjan Branch, Zanjan, Iran

## خلاصه مقاله:

نقش مهمی در ایجاد مقاومت سوبه های CTX-M سابقه و هدف: حضور ژن های بتالاکتاماز وسیع الطیف به ویژه نوع Escherichia coli مولد این آنزیم ها به آنتی بیوتیک های بتا لاکتام ایفا می کنند. مقاومت باکتری های گرم منفی از جمله نسبت به آنتی بیوتیک های مختلف، به خصوص بتالاکتام ها به طور روزافزون گزارش شده است. این مطالعه با هدف صورت پذیرفت. E. coli ارزیابی بتالاکتامزهای وسیع الطیف در باکتری مواد و روش ه ا: در این مطالعه مقطعی - تحلیلی که از فروردین تا بهمن سال ۹۲ در بیمارستان های عمومی شهر جداسازی و جهت بررسی بتالاکتامزهای وسیع الطیف از روش E. coli ارومیه صورت گرفت، ۱۳۱ نمونه مورد PCR با روش CTX-M- با روش جوشیدن استخراج شد و از نظر وجود ژن ۱۵ DNA. استفاده شد Combined Disk بررسی قرار گرفت. ۱۱ درصد، ۷ مورد از / ۸۲ درصد، ۱۵ مورد از سیتی سمی ( ۴۵ / از عفونت ادراری ( E.coli ۴۴ یافته ها: ۱۰۸ باکتری ۵ درصد ) و ۱ مورد هم از بیمار مبتلا به مننژیت ( ۷۶ / درصد) جداسازی شد. از ۱۳۱ مورد جداسازی / عفونت زخمی ( ۳۴ ۲۳ درصد از سوی های مقاوم دارای / ۴۱ درصد) دارای مقاومت داروی چندگانه بودند. ۶۳ / شده، ۵۵ مورد ( ۹۸ بودند. CTX-M- بتالاکتامزهای وسیع الطیف از نوع ۱۵ استنتاج: با توجه به شیوع رو به افزایش سوبه های تولیدکننده بتالاکتامزهای وسیع الطیف، استفاده از پروتکل درمانی مناسب براساس تعیین الگوی آنتی بیوگرام سوبه ها، قویا توصیه می شود.

## کلمات کلیدی:

Extended-spectrum  $\beta$ -lactamases, Escherichia coli, CTX-M-۱۵, CTX-M

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/1790307>

