

عنوان مقاله:

بررسی ارتباط پلی مورفیسم پروموتورن CCR5 در موقعیت -59353T/C با عفونت HCV

محل انتشار:

مجله دانشگاه علوم پزشکی مازندران، دوره 23، شماره 109 (سال: 1392)

تعداد صفحات اصل مقاله: 9

نویسندگان:

آسیه حسینی - علوم پزشکی مازندران

زهره شریفی - علوم پزشکی مازندران

فهیمه اغبانی آرانی - علوم پزشکی مازندران

خلاصه مقاله:

سابقه و هدف: هپاتیت C یک بیماری حاد یا مزمن کبدی در سراسر جهان است. کموکایندها و رسپتورهای کموکاینی با به کارگیری و فعال سازی سلول های التهابی به سمت کبد آلوده در ایجاد یک پاسخ ایمنی موثر علیه ویروس هپاتیت (HCV) (C) شرکت دارند. رسپتور کموکاینی CCR5 روی سلول های مختلفی از سیستم ایمنی بیان شده و گزارش شده است که پلی مورفیسم CCR5-59353T/C ممکن است با عفونت HCV مرتبط باشد. از این رو، این مطالعه به منظور تعیین ارتباط بین این پلی مورفیسم با استعداد ابتلا به عفونت HCV در بیماران ایرانی انجام شد. مواد و روش ها: در این مطالعه 100 بیمار مبتلا به HCV و 100 فرد سالم به طور تصادفی انتخاب شدند. با روش نمک اشباع DNA ژنومی از بافیکوت استخراج شد. ژنوتیپ های CCR5-59353(T/C) توسط روش PCR اختصاصی آل تعیین شدند. محصولات PCR رویژل آگارز 1/5 درصد الکتروفورز شدند و برای تجزیه و تحلیل آماری از آزمون Chi-square استفاده شد. یافته ها: فراوانی آل واریانت C در گروه بیماران مبتلا به HCV 42 درصد و در افراد سالم 37 درصد بود که از نظر آماری تفاوت معنی داری نداشت (P=0.3). همچنین فراوانی ژنوتیپ هموزیگوت CCR5-59353CC در بیماران مبتلا به HCV، 16 درصد و افراد سالم 12 درصد بود و هیچ تفاوت معنی داری بین دو گروه مشاهده نشد (P=0.4). استنتاج: بر اساس یافته های ما پلی مورفیسم CCR5-59353T/C در جمعیت مورد مطالعه به عنوان یک فاکتور ژنتیکی میزبان جهت تعیین استعداد ابتلا به عفونت HCV تاثیرگذار نمی باشد.

کلمات کلیدی:

Chemokine receptor, Polymorphism, CCR5-59353, HCV, رسپتور کموکاینی، پلی مورفیسم، CCR5-59353, HCV

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/1790538>

