

عنوان مقاله:

مطالعه تنوع تعداد کپی روی کروموزوم جنسی در برخی از نژاد های گوسفند ایرانی

محل انتشار:

فصلنامه علوم دامی، این، دوره 54، شماره 3 (سال: 1402)

تعداد صفحات اصل مقاله: 14

نویسندها:

هادی پزدانی - گروه علوم دامی، دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی ساری، ساری، ایران

محسن، قلی، زاده - گروه علوم دامی، دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی، ساری، ساری، ایران

ابوب فرهادی - گروه علوم دامی، دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی، ساری، ایران

محمدحسن مرادی - گروه علوم دامی، دانشکده کشاورزی، دانشگاه اراک، اراک، ایران

خلاصة ومقاله:

تعداد کپی (CNV) یکی از مهمترین تغییرات ساختاری در ژنوم است که نقش مهمی در وابسنس ژنتیکی صفات اقتصادی دارند. در این مطالعه CNV‌ها و نواحی تنوع تعداد کپی (CNV) را کروموزوم جنسی سه نژاد گوسفند بومی ایرانی شامل نژادهای دنبه دار بلوجی و لری بختیاری و نژاد بدون دنبه زل بررسی شدند. ژنوتیپ K⁵⁰ نمونه‌ها جمی آوری و CNV‌ها برای هر فرد با استفاده از نرم افزار PennCNV شناسایی شدند. سپس کنترل کیفیت CNV‌ها با فیلترهای مختلف انجام شد و CNV‌ها با استفاده از نواحی همپوشان CNVRuler v1.5 با استفاده از نرم افزار CNV شناسایی شدند. در مجموع، تعداد ۳۷، ۱۱ و ۴ CNV از نوع اضافه به ترتیب روی کروموزوم X گوسفند بلوجی، زل و لری-بختیاری شناسایی شد. کمترین، بیشترین و میانگین طول CNV شناسایی شده، به ترتیب روی ۴۴۷۶۹۴ و ۱۲۹۳۱۵۴، ۹۴۴۷۷ و ۴۴۷۶۹۴ جفت باز در نژاد بلوجی، ۲۷۱۸۱۹۱ و ۶۷۴۸۴۵۴ جفت باز در نژاد زل و ۹۰۶۴۴۰ و ۹۹۷۰۵۰ جفت باز در نژاد لری بختیاری بود. پس از ادغام CNV‌ها به ترتیب تعداد ۴۰، ۳۰ و ۱۰ CNVR در این سه نژاد شناسایی شد که همگی از نوع اضافه بودند. بررسی عملکرد ژن‌های نواحی CNVR نشان داد که برخی از این ژن‌ها (APLN، NDUFA1، TRPC5، VEGF، VAMP21، VAMP1 با متاپولیسم چربی در ارتباط بودند. حاشیه نویسی ژن‌ها برای عملکرد مولکولی، به طور معنی داری در مسیر arylsulfatase activity واریانت‌های سبیل موثر بر متاپولیسم چربی در گوسفند کمک نماید.

كلمات كليدي:

CNV, SNP, PennCNV گوسفند

لینک ثابت مقاله در یایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/1803559>

