

عنوان مقاله:

تجزیه و تحلیل ژنتیکی گاوهای شیری استان تهران بر اساس رکوردهای شیر ۳۰۵ روز دوره های اول و دوم شیردهی

محل انتشار:

مجله تحقیقات دام و طیور، دوره 5، شماره 3 (سال: 1395)

تعداد صفحات اصل مقاله: 15

نویسندگان:

انسبه ارشی - دانش آموخته کارشناسی ارشد دانشگاه بیرجند

همایون فرهنگ فر - استاد دانشگاه بیرجند

مسلم باشتنی - استاد دانشگاه بیرجند

خلاصه مقاله:

هدف از این تحقیق، ارزیابی ژنتیکی گاوهای شیری استان تهران برای صفت تولید شیر ۳۰۵ روز بر اساس رکورد دوره‌ی اول شیردهی (سناریوی ۱) و رکوردهای دوره‌های اول و دوم شیردهی (سناریوی ۲) بود. کل داده‌ها، مشتمل بر ۲۰۶۰۱۳ رکورد (۱۲۶۶۰۰ رکورد متعلق به دوره‌ی اول شیردهی و ۷۹۴۱۳ رکورد متعلق به دوره‌ی دوم شیردهی) و متعلق به ۱۲۶۶۰۰ راس گاو شیری (فرزندان ۲۸۷۶ پدر و ۸۹۳۶۸ مادر) در ۲۶۰ گله بود. گاوهای مزبور، بین سال‌های ۱۳۶۲ تا ۱۳۹۰ زایش داشتند. تعداد کل حیوانات شجره ۲۱۸۸۴۴ راس بود. آنالیز ژنتیکی صفت، توسط مدل‌های دامی تک‌صفتی انجام گردید. نرم‌افزار DMU برای برآورد اجزای واریانس (با روش حداکثر درست‌نمایی محدود شده) و پیش‌بینی ارزش اصلاحی (بهترین پیش‌بینی نااریب خطی) مورد استفاده قرار گرفت. روندهای ژنتیکی برای سناریوهای ۱ و ۲ به ترتیب ۶/۱۶ کیلوگرم (اشتباه معیار ۴۲/۲ کیلوگرم) و ۹/۱۴ کیلوگرم (اشتباه معیار ۴۲/۲ کیلوگرم) در سال برآورد شدند که اختلاف آن‌ها با یکدیگر به لحاظ آماری معنی‌دار نبود. وراثت‌پذیری صفت در دو سناریوی فوق، به ترتیب ۲۸۱/۰ و ۲۴۷/۰ به دست آمد. بر اساس نوع رکورد مورد استفاده، میانگین صحت انتخاب دختران (۶۷/۰ در سناریو ۱ و ۶۹/۰ در سناریو ۲) اختلاف معنی‌دار آماری ($P < 0.001$) با یکدیگر داشتند. نتایج این پژوهش نشان داد که ارزیابی گاوها بر اساس دو روش مذکور، روند ژنتیکی و صحت انتخاب کم و بیش مشابهی را ایجاد می‌کند؛ و لذا می‌توان به منظور کاهش فاصله نسل و افزایش میزان بهبود ژنتیکی سالانه، از رکورد دوره‌ی اول شیردهی استفاده نمود.

کلمات کلیدی:

مدل حیوانی، شیر ۳۰۵ روز، ارزیابی ژنتیکی، صحت انتخاب

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/1804851>

