

## عنوان مقاله:

تغییرات سطح بیان ژن BTG1 در افراد مبتلا به سرطان معده و مقایسه آن با افراد سالم

## محل انتشار:

مجله زیست شناسی جانوری تجربی، دوره 10، شماره 4 (سال: 1401)

تعداد صفحات اصل مقاله: 12

## نویسندگان:

حمید علی بهار - دکتری، گروه بیوشیمی، پیام نور، تهران، ایران

یوسف پریدار - استادیار، کلینیک ویژه بیماری های گوارش و کبد بالغین، دانشگاه علوم پزشکی دزفول، دزفول، ایران

میثم مردسلطانی - استادیار، گروه بیوشیمی بالینی، دانشکده علوم پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی دزفول، دزفول، ایران

رضا حاجی حسینی - استاد، گروه بیوشیمی، پیام نور، تهران، ایران

## خلاصه مقاله:

سرطان معده (GC) یکی از متداول ترین انواع سرطان و دومین علت اصلی مرگ و میر ناشی از سرطان است. تاخیر در تشخیص و عدم غربالگری از دلایل اصلی مرگ و میر بالا در اثر این بیماری است. به نظر میرسد یافتن یک نشانگر زیستی تشخیصی دقیق و موثر برای درمان موثر GC ضروری است. در این راستا با استفاده از گاستروسکوپ، ما نمونه های بافتی را از بیماران مبتلا به GC و افراد سالم جمع آوری کردیم. از نمونه های به دست آمده برای استخراج RNA آنها با استفاده از کیت محلول Trizol استفاده شد. از نمونه های RNA برای انجام qRT-PCR با استفاده از آغازگرهای اختصاصی طراحی شده برای ژن های BTG1 و GAPDH استفاده شد. نتایج qRT-PCR با استفاده از روش  $\Delta Ct^2$  و آزمون های آماری مختلف از طریق نرم افزار SPSS مورد تجزیه و تحلیل قرار گرفت. در مجموع، 40 نمونه از GC و شاهد سالم جمع آوری شد و اطلاعات دموگرافیک آنها ثبت شد. استخراج RNA مقدار RNA لازم را برای qRT-PCR تولید کرده بود. نتایج qRT-PCR نشان داد، که بیان BTG1 به طور قابل توجهی در نمونه های GC کاهش یافته است. با توجه به نتایج به دست آمده می توان نتیجه گرفت که کاهش بیان BTG1 می تواند به عنوان یک نشانگر زیستی دقیق برای GC عمل کند. این ژن همچنین می تواند شاخص بیماری زایی GC باشد. این نتایج می تواند کاربردهای تشخیصی و درمانی احتمالی BTG1 برای GC را نشان دهد.

## کلمات کلیدی:

تشخیص، سرطان معده، نشانگر زیستی، BTG1

## لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/1852031>

