

عنوان مقاله:

شناسایی و آنالیز توالی cDNA کد کننده پروتئین شوک حرارتی ۹۰ کیلو دالتون (Hsp۹۰) در ماهی سفید (*Rutilus frisii kutum*)

محل انتشار:

فصلنامه فیزیولوژی و بیوتکنولوژی آبزیان، دوره 4، شماره 4 (سال: 1395)

تعداد صفحات اصل مقاله: 12

نویسندگان:

مریم ایزددوست کرمحله - دانشجوی کارشناسی ارشد بیوشیمی، گروه زیست شناسی، دانشکده علوم پایه، دانشگاه گیلان

حسین غفوری - استادیار گروه زیست شناسی، دانشکده علوم پایه، دانشگاه گیلان

سجاد صاری خان - مربی پژوهشی بخش بانک مولکولی، مرکز ملی ذخایر ژنتیکی و زیستی ایران

بهروز حیدری - استادیار گروه زیست شناسی، دانشکده علوم پایه، دانشگاه گیلان

خلاصه مقاله:

گروهی مهمی از چاپرون ها که به پروتئین های شوک حرارتی (Hsp) معروف هستند، وظیفه اصلی آن ها نظارت بر تاخوردگی پروتئین های درون سلولی است. پروتئین Hsp۹۰ که فراوان ترین پروتئین در سلول های یوکاریوتی نیز است (حدود ۲-۱٪ از کل پروتئین های سلول) علاوه بر نقشی که ذکر شد در امور دیگر مانند ایجاد کمپلکس پروتئین های مسیره های انتقال پیام، حائز اهمیت است. در این پژوهش Hsp۹۰ گونه *Rutilus frisii kutum* ماهی سفید که گونه بومی ایران است مورد بررسی قرار گرفت. از آنجایی که اطلاعاتی در مورد توالی ژن hsp۹۰ در ماهی سفید در دست نبود ابتدا توالی این ژن به کمک تکنیک PCR و توالی یابی محصول PCR به دست آمد. نتایج نشان داد که این توالی همولوژی بالای ۹۷ درصد با hsp۹۰ گونه های *Gobiocypris* و *Cyprinus carpio* rarus داشت. طول کامل ژن hsp۹۰ مورد مطالعه ۲۱۸۱ نوکلئوتید مطابق با ۲۲۷ ریشه آمینو اسید به دست آمد.

کلمات کلیدی:

چاپرون، پروتئین شوک حرارتی، Hsp۹۰, *Rutilus frisii kutum*

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/1931935>

