

عنوان مقاله:

بررسی ساختار پروتئین Chymotrypsin inhibitor2 (CI 2) با بکارگیری روشهای طراحی مسیر هوشمند

محل انتشار:

دومین کنگره مشترک سیستمهای فازی و هوشمند ایران (سال: 1387)

تعداد صفحات اصل مقاله: 6

نویسندگان:

زهرا خانی - دانشگاه صنعتی خواجه نصیرالدین طوسی، گروه مهندسی میکاترونیک

علی غفاری

خلاصه مقاله:

پروتئین ساختار پایه ای موجودات زنده است که از کنار هم قرار گرفتن ترتیبی از آمینو اسیدها تشکیل می شود. امروزه تاخوردگی پروتئین یکی از مهمترین مساله های چالش برانگیز در بیولوژی است که تاکنون راه حل کلی برای آن بدست نیامده است. در این مقاله روش هوشمند جدیدی برای شناخت مسیر حرکت آمینواسیدها در عملیات شکل گیری پروتئین ارائه شده است. در این روش بهینه سازی ساختار تازدن پروتئین به گونه ای طراحی می شود که مجموع مسیرهای انتخاب شده دارای کمترین مرتبه اتصال باشند. پروتئین مورد بحث در این مقاله CI 2 می باشد که یکی از اساسی ترین پروتئینهای موجود می باشد. از مزیت های روش جدید ارائه شده، می توان به توانایی بدست آوردن ترتیب تازدن و مرتبه اتصال و زمان محاسبه اشاره نمود. نتایج بدست آمده از روش پیشنهادی برای پروتئین CI 2 در مقایسه با روشهای پرهزینه بر موجود، نشاندهنده عملکرد مناسب و مطلوب آن است

کلمات کلیدی:

تازدن پروتئین، پروتئین متحرک، حالت محلی، مسیر حرکت

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/204020>

