

عنوان مقاله:

مطالعه همبستگی بیان ژن های کاهش یافته بین RNA غیر کدکننده طولانی و mRNA در سرطان مری

محل انتشار:

نهمین کنفرانس بین المللی پژوهش های کاربردی در علوم پایه، مهندسی و تکنولوژی (سال: 1402)

تعداد صفحات اصل مقاله: 10

نویسندگان:

نازیلا ساعدی الوارعلیا - گروه علوم زیستی - موسسه آموزشی عالی ربع رشیدی - تبریز - ایران

سهیل صبوری - مرکز تحقیقات علوم زیستی و بیوتکنولوژی - دانشگاه تبریز - تبریز - ایران

فاطمه زینالی - گروه زیست، واحد تبریز، دانشگاه آزاد اسلامی، تبریز، ایران

خلاصه مقاله:

سرطان مری یکی از شایع ترین سرطان های دستگاه گوارش است و میزان بروز آن در سال های اخیر روبه افزایش است و ششمین علل مرگ و میر ناشی از سرطان، در مردان می باشد. ESCC پیش آگهی بسیار ضعیف و مرگ و میر بالایی دارد. در سطوح مولکولی این گوناگونی در انتخاب راه حل های درمان و پیش آگهی بیماری یک مسئله است. هدف از این مطالعه بررسی ارتباط RNA های غیر کدکننده طولانی و mRNA در بافت تومور و حاشیه ی تومور مبتلایان به سرطان کارسینوم سلولهای سنگفرشی مری بود که با توجه به داده ها ی به دست آمده کاهش بیان در بافت تومور نسبت به بافت حاشیه ی تومور مشاهده شد. برای این تحقیق یک مجموعه داده بیان ژن طبق ریز آرایه از پایگاه عمومی NCBI Gene Expression Omnibus (GEO) یافت شد که از عدد های الحاقی ژن برای گروه داده های بدست آمده در بردارنده ی GSE53622 با GPL118109 که حد واسط چند آرایه ی قوی RNA برای تبدیل کردن \log_2 ، نرمال سازی و تصحیح پس زمینه که از پیش پردازش شده برای بررسی توسط array qualitymetrics در R تحقق یافتند. طبق آنالیزهایی که بدست آوردیم در سرطان کارسینوم سلول سنگفرشی مری در مسیرهای سیگنالینگ متفاوت، ژن ها و مسیر ژن هایی که سبب کاهش بیان می شود را مورد بررسی قرار دادیم که هم سو با تحقیقاتی که از قبل صورت گرفته شده است. نتیجه گیری: براساس آنالیزهای بدست آمده مشاهده کردیم که در بافت تومور نسبت به حاشیه تومور را در نظر گرفتن $-\log_{10}(P\text{-Value}) > 0.5$ و $\log_2(\text{FC}) > 0.7$ کاهش بیان ارتباط معناداری بین داده های بدست آمده است.

کلمات کلیدی:

سرطان کارسینوم سلول سنگفرشی مری (RNA)، ESCC) های غیر کدکننده طولانی (mRNA)، LncRNAs، متآنالیز

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/2040290>

