

عنوان مقاله:

ژنومیکس کارکردی پاسخ به تنش خشکی در یونجه یکساله *Medicago truncatula*

محل انتشار:

سومین همایش ملی بیوتکنولوژی کشاورزی ایران (گیاهی، دامی و صنعتی) (سال: 1391)

تعداد صفحات اصل مقاله: 2

نویسندگان:

احمدعلی شوشی دزفولی - عضو هیئت علمی مرکز تحقیقات کشاورزی صفی آباد دزفول و دانشجوی دکتری اصلا

اسماعیل ابراهیمی - استادیار گروه زراعت و اصلاح نباتات ، دانشکده کشاورزی ، دانشگاه شیراز

بهروز شیران - دانشیار گروه زراعت و اصلاح نباتات ، دانشکده کشاورزی، دانشگاه شهرکرد

ارغوان علی سلطانی - دانشجوی دکتری اصلاح نباتات دانشکده کشاورزی، دانشگاه شهرکرد

خلاصه مقاله:

خصوصیت اصلی در مطالعات ژنومیکس کارکردی دستیابی وسیع به ژنوم برای پاسخ به سئوالاتی در خصوص عملکرد DNA ردر سطوح ژنی ، رونوشت RNA و محصولات پروتئینی است ، که در مقایسه با روش ژن به ژن ، این مطالعات شامل استفاده از روش هایی با مقادیر داده ای زیاد می باشد. در این تحقیق به منظور شناخت ژن های دخیل در خشکی ، دو کتابخانه EST مربوط به کل اندام گیاه تحت شرایط نرمال (با تعداد 6427 EST) تنش خشکی (با تعداد 7213 EST) با هم مقایسه گردید. نتایج حاصل از این مقایسه نشان داد که ژن دلتا 1 پیرویلین 5 کربوکسیلات سینتتاز با نسبت بیان 0/0082 بیشترین تفاوت نسبت بیان ژن را نسبت به کتابخانه نرمال دارد. وجود دامین پروتئینی آمینو اسید کیناز در پروتئین مذکور بیانگر نقش مهم عوامل سیگنال دهنده در پاسخ به تنش خشکی در یونجه یکساله بود.

کلمات کلیدی:

ژنومیکس کارکردی ، EST ، تنش خشکی ، *Medicago truncatula*

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/204095>

