

عنوان مقاله:

شبیه سازی جمعیت اولیه (تاریخی) و تعیین صحت عدم تعادل پیوستگی در مطالعات شبیه سازی ژنومی

محل انتشار:

سومین همایش ملی بیوتکنولوژی کشاورزی ایران (گیاهی، دامی و صنعتی) (سال: 1391)

تعداد صفحات اصل مقاله: 4

نویسندگان:

حسین مهربان - دانشجوی دکتری-رئیس کشاورزی و منابع طبیعی دانشگاه تهران

اردشیر نجاتی جوارمی - دانشیار پردیس کشاورزی و منابع طبیعی دانشگاه تهران

رضا میرائی آشتیانی - استاد پردیس کشاورزی و منابع طبیعی دانشگاه تهران

حسن مهربانی یگانه - استادیار پردیس کشاورزی و منابع طبیعی دانشگاه تهران

خلاصه مقاله:

جهت بررسی صحت عدم تعادل پیوستگی در مطالعات شبیه سازی ژنومی، جمعیتی در دو حالت عدم تعادل پیوستگی صفر و یک در نسل اول شبیه سازی شد. از معیارهای اندازه موثر جمعیت میزان عدم تعادل پیوستگی و واریانس بین نشانگرها جهت تعیین صحت شبیه سازی استفاده شد. نتایج نشان دهنده همبستگی زیاد بین اندازه موثر جمعیت مشاهده شده و مورد انتظار بود. همچنین میزان عدم تعادل پیوستگی مشاهده شده و مورد انتظار بر هم منطبق شدند و چنین روندی با افزایش اندازه جمعیت موثر وضعیت مطلوب تری پیدا کرد. به علاوه میزان واریانس مشاهده شده و مورد انتظار بین نشانگرها در حالت نو ترکیبی آزاد نیز بر یکدیگر منطبق شدند. با توجه به معیارهای مورد بررسی می توان گفت که جمعیت اولیه به درستی شبیه سازی شده است و می توان از آن برای توسعه جمعیت مرجع استفاده کرد. با توجه به نتایج به دست آمده پیشنهاد می شود در مطالعات شبیه سازی ژنومی پس از تشکیل جمعیت اولیه از معیارهای ارائه داده شده جهت بررسی صحت شبیه سازی استفاده شود.

کلمات کلیدی:

صحت شبیه سازی، عدم تعادل پیوستگی، واریانس بین نشانگرها، اندازه موثر جمعیت

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/204124>

