

عنوان مقاله:

مطالعه تنوع مورفولوژیکی و ژنتیکی جدایه های *Botrytis cinerea* عامل کپک خاکستری توت فرنگی با استفاده از توالی یابی ناحیه ITS

محل انتشار:

سومین همایش ملی بیوتکنولوژی کشاورزی ایران (گیاهی، دامی و صنعتی) (سال: 1391)

تعداد صفحات اصل مقاله: 3

نویسندگان:

جعفر نصیری طالشی - دانشجوی کارشناسی ارشد گروه گیاهپزشکی دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طب

صفر علی مهدیان - استادیار گروه گیاهپزشکی دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی ساری

محمد علی تاجیک قنبری - استادیار گروه گیاهپزشکی دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی ساری

امین علیان - کارشناسی ارشد کلینیک گیاهپزشکی مرکزی بهنمیر

خلاصه مقاله:

توت فرنگی از گیاهان مهم کشت شده در شمال ایران بوده که میوه آن مصارف فراوانی در طب سنتی به منظور جلوگیری از ابتلا به بسیاری بیماری ها دارد. بیماری کپک خاکستری ناشی از *Botrytis cinerea* از مهمترین بیماری های توت فرنگی بوده که سالانه موجب خسارات زیادی به این محصول می شود. این تحقیق به منظور بررسی خصوصیات مورفولوژیکی و ژنتیکی و امکان تنوع بین جدایه ها در استان مازندران انجام شد. برای این منظور 22 جدایه از مزارع مناطق مختلف استان به دست آمد. اساس شناسایی اولیه صفات مورفولوژیک قارچ مانند رنگ کلنی، شکل، رنگ و ابعاد کنیدیوفور، شکل و ابعاد اسکروت ها بود. در این بررسی ها تفاوت زیادی بین ایزوله های بدست آمده از مناطق مختلف مشاهده شد. با توجه به تنوع مشاهده شده جدایه ها به 7 گروه تقسیم شدند. جهت تعیین امکان تنوع ژنتیکی بین ایزوله ها از هر گروه یک نماینده انتخاب و سپس ناحیه ITS (Internal Transcribed Spacer) (دی ان ای ریبوزومی جدایه ها با استفاده از جفت آغازگرهای ITS4 و ITS5 تکثیر شد. محصول پی سی ار پس از توالی یابی و همردیف سازی چندگانه با استفاده از نرم افزار CLUSTALX با سایر توالی های مربوطه ثبت شده در بانک ژن مقایسه گردید. درخت فیلوژنی جدایه ها با استفاده از نرم افزار MEGA5 ترسیم گشت. در تجزیه خوشه ای ، نمونه ها در حد تشابه 08 % در 5 گروه جای گرفتند. نتایج حاصل از این تحقیق حاکی از وجود تنوع بالای مورفولوژیکی و ژنتیکی بین جدایه های *B. cinerea* عامل کپک خاکستری توت فرنگی در مازندران می باشد.

کلمات کلیدی:

تنوع ژنتیکی *Botrytis* ، ITS ، PCR ، اسکروت

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/204374>

