

عنوان مقاله:

شناسایی ژن های کلیدی دخیل در پاسخ به تنش خشکی ناشی از پلی اتیلن گلایکول بر جوانه زنی آرایدوسیس تالیانا با استفاده از تجزیه تحلیل داده های ریز آرایه

محل انتشار:

نهمین کنگره بین المللی توسعه کشاورزی و محیط زیست با تأکید بر برنامه توسعه ملل (سال: 1403)

تعداد صفحات اصل مقاله: 10

نویسندها:

شکوفه فارسی - کارشناسی ارشد بیوتکنولوژی کشاورزی-دانشگاه گیلان

رضا مدادح - دانشجوی دکتری ژنتیک مولکولی-پژوهشکده ملی مهندسی ژنتیک و بیوتکنولوژی، تهران، ایران،

رضا جلالی فر - دکتری ژنتیک و به نزدیک گیاهی-دانشگاه گیلان

خلاصه مقاله:

تشن های غیرزیستی مانند خشکی، دمای شدید و شوری می توانند بر جوانه زنی بذر و رشد گیاه تاثیر منفی بگذارند که بهمحدودیت های اصلی برای تولید محصولات تبدیل شده اند. هدف از مطالعه حاضر شناسایی ژن های کلیدی و تجزیه و تحلیل مسیرهای بیولوژیکی مرتبط با تنش خشکی ناشی از پلی اتیلن گلایکول در آرایدوسیس تالیانا است. ژن های پاسخ دهنده خشکی از طریق تجزیه و تحلیل داده های ریز آرایه موجود با شماره دسترسی GSE64227 از پایگاه داده GeneExpression Omnibus DEGs دانلود شدند. مجموعه ژن های بیان شده متفاوت DEGs توسط ابزار آنلاین GEO2R مورد تجزیه و تحلیل قرار گرفتند. ژن هاب توسط نرم افزار Cytoscape شناسایی و برای ایجاد شبکه تعامل پروتئین-پروتئین-پروتئیناز وب سایت STRING استفاده گردید. در مجموع ۸۵۱ ژن با بیان متفاوت DEGs و P-value < ۰.۰۵ و foldchange (log FC) | > ۲.۰- | به دست آمد. که ۶۳۸ ژن دارای بیان بالا و ۲۱۳ ژن دارای بیان پایین داشتند. نتایج حاصل از بازسازی شبکه برهمکنش پروتئین-پروتئین منجر به شناسایی ۱۰ ژن کلیدی دخیل در تنش خشکی در مرحله جوانه زنی شد. این ژنهای با بیشترین درجه اتصال تحتنتش در شرایط آزمایشگاهی پیشنهاد می گردند.

کلمات کلیدی:

تجزیه و تحلیل ریز آرایه، ژن هاب، شبکه برهمکنش پروتئین-پروتئین، هستی شناسی ژن

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/2050639>

