

عنوان مقاله:

تمایز ژنتیکی در جمعیت های مختلف بلوط ایرانی (*Quercus brantii*) بر اساس نشانگرهای بین ریزماهوره ای ژنومی

محل انتشار:

مجله علمی تحقیقات ژنتیک و اصلاح گیاهان مرتعی و جنگلی ایران، دوره 24، شماره 1 (سال: 1395)

تعداد صفحات اصل مقاله: 13

نویسندگان:

naghi shabaniyan - نویسنده مسئول مکاتبات، دانشیار، گروه جنگلداری، دانشکده منابع طبیعی، دانشگاه کردستان پست الکترونیک: n.shabaniyan@uok.ac.ir

afrooz havasi - کارشناس ارشد، جنگل شناسی و اکولوژی جنگل، دانشکده منابع طبیعی، دانشگاه کردستان

ali ashraf mehrabi - دانشیار، گروه زراعت و اصلاح نباتات، دانشکده کشاورزی، دانشگاه ایلام

خلاصه مقاله:

بلوط ها اصلی ترین گونه های درختی تشکیل دهنده جنگل های زاگرس هستند. اطلاعات درباره الگوهای طبیعی تنوع ژنتیکی از اهمیت کاربردی بالایی برای مدیریت و حفاظت پایدار جنگل ها برخوردار است. در این مطالعه برای ارزیابی تمایز و تنوع ژنتیکی بین و درون هشت جمعیت بلوط ایرانی متشکل از ۱۰۴ ژنوتیپ با شرایط رویشگاهی متفاوت از جنگل های ایلام، DNA ژنومی استخراج و قطعات تکثیر یافته با آغازگرهای مختلف بر روی ژل ۲/۱ درصد مشاهده و نمره دهی شدند. از ۲۲ آغازگر نشانگر مولکولی ۱۵، ISSR آغازگر نوارهای تکرارپذیر و قابل امتیازدهی تکثیر کردند. ماتریس تشابه دایس و جاکارد تجزیه و تحلیل شده و داده های حاصل تجزیه واریانس مولکولی شدند. از آغازگرهای مورد استفاده ۱۸۹ نوار با ۱۰۰ درصد چندشکلی تکثیر شدند. تعداد آلل های تکثیر شده از این آغازگرها از ۷ تا ۲۰ با میانگین ۶/۱۲ آلل متفاوت بود. همچنین دامنه اندازه قطعات تکثیر یافته بین ۱۰۰ تا ۱۸۰۰ جفت باز بود. تجزیه واریانس مولکولی نشان داد که از تنوع مولکولی آشکار شده ۷۹ درصد مربوط به تنوع درون جمعیت ها و ۲۱ درصد باقیمانده ناشی از تنوع بین جمعیت ها بود. یافته های این تحقیق بیانگر وجود تنوع ژنتیکی بالا در درون جمعیت های بلوط ایرانی در رویشگاه های ایلام است.

کلمات کلیدی:

بلوط ایرانی، شاخص تنوع ژنی، ژنتیک جمعیت، نشانگر بین ریزماهوره ای

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/2076422>

