

## عنوان مقاله:

بررسی تنوع ژنتیکی جمعیت های *Ustilago hordei* در استان خوزستان با استفاده از نشانگر rep-PCR

## محل انتشار:

دوازدهمین کنگره ژنتیک ایران (سال: 1391)

تعداد صفحات اصل مقاله: 5

## نویسندگان:

فاطمه سادات حسن زاده طباطبایی - گروه بیماری شناسی گیاهی دانشکده کشاورزی، دانشگاه تربیت مدرس

ناصر صفایی - گروه بیماری شناسی گیاهی دانشکده کشاورزی، دانشگاه تربیت مدرس

مسعود شمس بخش - گروه بیماری شناسی گیاهی دانشکده کشاورزی، دانشگاه تربیت مدرس

محمدرضا اصلاحی - مرکز تحقیقات کشاورزی و منابع طبیعی خوزستان

## خلاصه مقاله:

بیمارگر *Ustilago hordei* (Pers.) Lagerh، بیماری سیاهک پنهان را بر روی جو و یولاف ایجاد می کند که از نظر اقتصادی اهمیت زیادی دارد. این قارچ که پراکنش جهانی دارد، یکی از عوامل محدود کننده تولید جو در ایران به شمار می رود. با توجه به اهمیت بیماری و عدم وجود اطلاعات پیرامون ساختار ژنتیکی جمعیت های این قارچ در استان خوزستان، در سال زراعی 1387-88، 144 جدایه این بیمارگر از 36 منطقه کشت و کار جو در استان جمع آوری و تنوع ژنتیکی 60 جدایه از آنها با استفاده از نشانگر مولکولی rep-PCR بررسی شد. سه آغاز گر rep-PCR استفاده شده برای بررسی تنوع ژنتیکی، در مجموع توانستند 47 لوکوس با قابلیت امتیاز دهی را شناسایی و تکثیر کنند که 71/3 درصد آنها (34 لوکوس) چند شکل بودند. از ضریب تشابه جاکارد (Jaccard's coefficient) برای تعیین تشابه جدایه ها و از روش UPGMA و نرم افزار NTSYSpc 2.0 جهت آنالیز خوشه ای استفاده شد. نشانگر rep-PCR، در سطح تشابه 75 درصد جدایه ها را در هشت گروه انگشت نگاری قرار داد. این پژوهش، اولین مطالعه در زمینه تنوع ژنتیکی جدایه های *U. hordei* با استفاده از نشانگر rep-PCR در دنیا می باشد و نشان داد که نشانگر مناسبی برای مطالعه تنوع ژنتیکی در این قارچ بیمارگر گیاهی است.

## کلمات کلیدی:

rep-PCR، تنوع ژنتیکی، *Ustilago hordei*، سیاهک، جو

## لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/226721>

