

عنوان مقاله:

بررسی تنوع ژنتیکی 38 جمعیت از 8 گونه جنس cicer با استفاده از نشانگر مولکولی URP

محل انتشار:

دوازدهمین کنگره ژنتیک ایران (سال: 1391)

تعداد صفحات اصل مقاله: 7

نویسندگان:

بهارک امیرمرادی - کارشناس ارشد اصلاح نباتات دانشگاه آزاد اسلامی واحد کرمانشاه، باشگاه پژوهشگران جوان، سنندج، ایران

رضا طالبی - عضو هیئت علمی دانشگاه آزاد اسلامی واحد سنندج

عزت کرمی - عضو هیئت علمی دانشگاه آزاد اسلامی واحد سنندج

هومن شیروانی

خلاصه مقاله:

به منظور بررسی تنوع ژنتیکی 38 جمعیت از 8 گونه جنس cicer، تحقیق فوق با استفاده از 7 آغازگر از نشانگر مولکولی URP صورت گرفت. با استفاده از این آغازگرها در مجموع 99 مکان ژنی نمره دهی شد. در مجموع با استفاده از آغازگرهای مورد استفاده 999 باند مشاهده شد که دامنه باندها از 500bs تا 2000bs بود. آغازگرهای URP9F و URP2F با 15 باند بیشترین و آغازگرهای URP13R و URP17R با 11 باند کمترین تعداد باند را نشان دادند. همچنین بیشترین میزان PIC مربوط به آغازگر URP13R و کمترین میزان را آغازگرهای URP1F و URP2F بود. تجزیه واریانس مولکولی در بین گونه ها نشان داد که تنوع در بین گونه ها کمتر از درون گونه ها می باشد، تنوع در بین گونه ها برابر 31% و در درون گونه ها 69% می باد. بیشترین میزان اخص اطلاعات شانون (I) مربوط به گونه C.cuneatum و کمترین مربوط به گونه C.orientinum بوده و نشاندهنده این موضوع است که تنوع در گونه C.cuneatum بیشتر از سایر گونه هاست. نتایج بدست آمده از تنوع ژنی (He) با نتایج حاصل از شاخص اطلاعاتی شانون کاملاً مطابقت داشت بطوری که حداکثر میزان تنوع ژنی مربوط به گونه C.cuneatum و حداقل میزان تنوع مربوط به گونه C.orientinum بود. بیشترین تعداد باند و درصد چندشکلی در بین گونه های مورد بررسی مربوط به گونه C.judaicum و کمترین میزان آن مربوط به گونه C.orientinum بود. با توجه ماتریس شباهت نی بیشترین شباهت در بین گونه C.reticulatum با گونه C.orientinum و کمترین شباهت در بین گونه ها مربوط به گونه C.reticulatum با گونه C.bijugum می باشد. در پایان نیز تجزیه کلاستر برای جمعیت های مورد بررسی انجام گرفت که در مجموع جمعیتها در 5 گروه قرار گرفتند.

کلمات کلیدی:

تنوع ژنتیکی، URP، Cicer

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/227209>

