

عنوان مقاله:

گروه بندی ژنتیکی برخی ارقام تجاری و هیبریدهای بادام با استفاده از تجزیه خوشه ای

محل انتشار:

دومین همایش ملی تنوع زیستی و تاثیر آن بر کشاورزی و محیط زیست (سال: 1391)

تعداد صفحات اصل مقاله: 5

نویسندگان:

سویل فرهادی تبریز - دانشکده کشاورزی دانشگاه آزاد اسلامی واحد تبریز

ابوالقاسم محمدی - دانشکده کشاورزی دانشگاه تبریز

سعید اهری زاد - دانشکده کشاورزی دانشگاه تبریز

ورهرام رشیدی - دانشکده کشاورزی دانشگاه آزاد اسلامی واحد تبریز

خلاصه مقاله:

در مطالعه حاضر به منظور شناسایی والدین بالقوه جهت استفاده در برنامه های دورگ گیی و همچنین مشخص کردن موقعیت هیبریدها نسبت به والدینشان، تجزیه خوشه ای بر اساس دادههای حاصل از نشانگرهای SSR بر روی 55 ژنوتیپ بادام انجام گرفت. همچنین شباهت یا فاصله ژنتیکی ژنوتیپ ها با استفاده از دو گروه معیار شباهت و فاصله برآورد گردید. گروه اول شامل ضرایب شباهت ژاکارد، نی و لی و تطابق ساده بود. این ضرایب با استفاده از ماتریس صفر و یک برآورد گردیدند و گروه بندی ژنوتیپ ها براساس این ضرایب و با استفاده از الگوریتم UPGMA انجام شد. علاوه براین، از ضریب فاصله تکاملی No of Deifferences نیز استفاده گردید و گروه بندی ژنوتیپ ها با استفاده از الگوریتم Neighbour-Joining انجام گرفت. برش دندروگرام با استفاده از روش Bootstrap ژنوتیپ ها را به 4 گروه منتسب کرد. که این گروه بندی کاملاً با اطلاعات شجره ای مطابقت داشت. بعلاوه، پراکنش ژنوتیپ های مورد مطالعه براساس دو مؤلفه اصلی اول تا حدود زیادی با گروه بندی آنها براساس تجزیه خوشه ای مطابق بود. با توجه به نتایج بدست آمده تجزیه خوشه ای یکی از بهترین روش های گروه بندی می باشد.

کلمات کلیدی:

بادام، تجزیه خوشه ای، نشانگرهای SSR

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/246422>

