

عنوان مقاله:

از قارچ در دو فرم اختصاصی (translation elongation factor) TEF مقایسه
بیوانفورماتیکی ژن عامل پژمردگی آوندی خیار *Fusarium oxysporum*

محل انتشار:

چهارمین همایش بیوانفورماتیک ایران (سال: 1391)

تعداد صفحات اصل مقاله: 1

نویسندگان:

ایمان شهابی - دانش آموخته کارشناسی ارشد بیماری شناسی گیاهی

خدیجه سالاری - عضو هیئت علمی بخش گیاهپزشکی دانشگاه جیرفت

خلاصه مقاله:

خیار یک محصول با اهمیت اقتصادی بالا در بسیاری از کشورهای دنیا می باشد. بیماری پژمردگی و زردی خیار ناشی از قارچ *Fusarium oxysporum* f. sp. *radicis cucumerinum* اختصاصی *Fusarium oxysporum* f. sp. *cucumerinum* و *Foc* ((از بیماریهای مخرب و از عوامل محدود کننده محصول به حساب می آید. به منظور آنالیز و بررسی میزان تنوع بین این دو فرم اختصاصی آلوده کننده خیار، توالینوکلئوتیدی و اسیدهای آمینه ژن TEF 21 جدایه (شامل شش جدایه مربوط به هر کدام از فرم های اختصاصی) از پایگاه داده بانک ژن بازیابی و تفاوت ژنی و پروتئینی میان و بین آنها مورد مطالعه قرار گرفت. در درخت فیلوژنتیکی رسم شده بر اساس توالی های مورد مطالعه، جدایه های مربوط به هر فرمتخصصی در گروه های جداگانه قرار گرفتند. مقایسه ماتریکس تشابه بین این جدایه ها تشابه بالای 98 درصد را نشان می دهد. کمترین میزان تشابه بینايزوله DQ22009 مربوط به فرم اختصاصی *Foc* و ایزوله EF056768 مربوط به فرم اختصاصی *Forc* به میزان 89.9 درصد می باشد. تنوع نوکلئوتیدی و تعداد متوسط تفاوت های نوکلئوتیدی در بین تمامی جدایه ها به ترتیب برابر 0.007 و 4.727 بود. نتایج نشان می دهد که جدایه هایی که به یک فرمتخصصی مربوط می باشند از لحاظ ژنتیکی تشابه زیادی با جدایه های فرم های تخصصی دیگر قارچ که به یک میزبان حمله می کنند، دارند.

کلمات کلیدی:

مقایسه بیوانفورماتیکی، پژمردگی آوندی خیار، translation elongation factor

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/287697>

