

عنوان مقاله:

بررسی پایداری ژنتیکی در گیاه زیتون رقم Koroneiki باززایی شده از طریق کشت بافت با استفاده از مارکرهای مولکولی ISSR

محل انتشار:

اولین کنگره بین المللی و سیزدهمین کنگره ژنتیک ایران (سال: 1393)

تعداد صفحات اصل مقاله: 2

نویسندگان:

بنفشه کنگرلو حقیقی - دانشگاه شهید بهشتی ، دانشکده زیست شناسی

مسعود شیدایی - دانشگاه شهید بهشتی ، دانشکده زیست شناسی

زهره نورمحمدی - دانشگاه آزاد اسلامی واحد علوم و تحقیقات ، دانشکده زیست شناسی

فرح فراهانی - دانشگاه آزاد اسلامی واحد قم ، دانشکده میکروبیولوژی

خلاصه مقاله:

رقم Koroneiki از ارقام زودرس، با کیفیت روغن بالا در میان ارقام زراعی زیتون و دارای اهمیت اقتصادی زیادی می باشد. تاکنون مطالعات محدودی در این رقم صورت گرفته است که از جمله آنها می توان به بررسی تنوع سوماکلونال در شرایط آزمایشگاهی با استفاده از نشانگرهای مولکولی RAPD اشاره کرد. در مطالعه حاضر، تنوع ژنتیکی گیاهان باززایی شده رقم koroneiki کشت شده در خاک مزرعه به منظور مقایسه خصوصیات ژنتیکی آنها با گیاهان مادری مورد بررسی قرار گرفت. در این تحقیق، آنالیزهای تنوع ژنتیکی 50 درخت رویشی تکثیر یافته از طریق کشت بافت (ساقه گیاه اصلی)، پس از استخراج DNA از برگها و با استفاده از 5 آغازگر ISSR انجام گرفت. الگوی قطعات حاصل از هر یک از آغازگرها پس از انجام واکنش PCR و جداسازی مبتنی بر الکتروفورز روی ژل آگارز براساس حضور و یا عدم حضور قطعه (به صورت 1 و 0) نمره دهی شدند. در مجموع 944 قطعه تولید شد که دامنه اندازه آنها بین 200 جفت باز تا 2100 جفت باز و میانگین قطعه در هر آغازگر 188,8 بود. میزان چند شکلی تمامی آغازگرها 100% گزارش شد. بیشترین تعداد قطعه تکثیر شده مربوط به آغازگر (GA)9A و کمترین تعداد به آغازگر UBC810 تعلق داشت. آغازگرهای UBC 810,811,834 هر کدام با 4 قطعه بیشترین و آغازگر (GA)9A با 1 قطعه کمترین قطعه منحصر به فرد را ایجاد کردند

کلمات کلیدی:

زیتون ، Olea europaea ، Koroneiki ، تنوع ژنتیکی ، نشانگر ISSR

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/328207>

