

عنوان مقاله:

بررسی پلی مورفیسم PARP-1 Val 762 Ala در سرطان کولورکتال

محل انتشار:

اولین کنگره بین المللی و سیزدهمین کنگره ژنتیک ایران (سال: 1393)

تعداد صفحات اصل مقاله: 2

نویسندگان:

یاسمن اعزازی - دانشگاه گیلان، پردیس بین الملل، گروه زیست شناسی

زیور صالحی - دانشگاه گیلان، دانشکده علوم پایه، گروه زیست شناسی

حمید سعیدی ساعدی - دانشگاه علوم پزشکی گیلان، دانشکده پزشکی

خلاصه مقاله:

انحرافات ژنتیکی آنزیم های ترمیم کننده DNA رویداد های شایعی در ارتباط با سرطان های مختلف می باشند. تفاوت های بین فردی در مسیرها و مکانیسم های ترمیم DNA با خطر افزایش سرطان در ارتباط است. است پلی (ADP-ribose) polymerase PAR1 پروتئین شناسایی کننده شکست های دو رشته ای در DNA است که به عنوان یکی از اولین پروتئین های پاسخ دهنده به آسیب DNA عمل می کند. PAR-1 باعث تسریع روند poly (ADP-ribosyl)ation می شود، و تغییرات پس از ترجمه وابسته به آسیب DNA را بر روی خود، هیستون ها، و سایر پروتئین های هسته اعمال می کند، این امر نقشی چند جانبه را بر روی مسیر های سلولیمختلف ایفا می کند، که شامل شناسایی آسیب، و ترمیم DNA می شود. داده ها حاکی از آن است که جانشینی PAR-1 Val Ala 762 با جایگاه شناسایی rs1136410 به عنوان فاکتور خطری برای انواع مختلف سرطان ها در اقوام گوناگون متفاوت است. هدف از این پروژه بررسی تاثیر پلی مورفیسم PAR-1 Val 762 Ala بر سرطان کولورکتال است. از تکنیک PCR-RFLP برای تعیین ژنوتیپ 40 بیمار مبتلا به سرطان کولورکتال و 60 فرد سالم استفاده شد، که فرکانس آلل های (GCG/GCG)، Val 762 Val، (GTG/GTG) Val 762 Ala، و 6.8% و 31.4% درصد و ترتیب به Ala 762 در افراد بیمار %6.8 و 31.4 درصد در گروه کنترل %60، %8، %5 و 30، مشاهده شد. پلی مورفیسم PAR-1 Val 762 Ala ارتباطی را با افزایش خطر ابتلا به سرطان کولورکتال نشان نداد. اگرچه، نیاز به بررسی های بیشتر بر روی جامعه ی آماری بزرگتر برای روشن شدن نقش PARP1 در سرطان کولورکتال است

کلمات کلیدی:

سرطان کولورکتال، PARP1 Val 762 Ala، پلی مورفیسم

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/328389>

