

عنوان مقاله:

ارزیابی تنوع ژنتیکی لاین های پیشرفته گندم دوروم با استفاده از مارکر ISSR

محل انتشار:

اولین کنگره بین المللی و سیزدهمین کنگره ژنتیک ایران (سال: 1393)

تعداد صفحات اصل مقاله: 5

نویسندگان:

زهرا زمانیان فرد - دانشگاه آزاد اسلامی واحد کرمانشاه، گروه اصلاح نباتات، کرمانشاه، ایران

رضا محمدی - عضو هیات علمی - استادیار پژوهش معاونت موسسه تحقیقات کشاورزی دیم کشور

علیرضا اطمینان - دانشگاه آزاد اسلامی واحد کرمانشاه، گروه اصلاح نباتات، کرمانشاه، ایران

لیا شوشتری - دانشگاه آزاد اسلامی واحد کرمانشاه، گروه اصلاح نباتات، کرمانشاه، ایران

خلاصه مقاله:

تنوع ژنتیکی در برنامه های اصلاحی به منظور افزایش تولید در محیطهای تحت استرس از اهمیت زیادی برخوردار می باشد. در این تحقیق، تنوع ژنتیکی 25 ژنوتیپ گندم دوروم شامل 21 لاین اصلاحی گندم دوروم دو رقم بومی گندم نان (زردک و گردیش)، یک رقم اصلاح شده گندم دوروم (ساجی) و یک رقم بومی گندم نان (سرداری) با استفاده از نشانگر ISSR مورد بررسی قرار گرفت. نتایج حاصل از دادههای مولکولی پس از امتیازدهی توسط نرم افزار DARwin مورد تجزیه قرار گرفت. در ارزیابی تنوع ژنتیکی ژنوتیپهای مختلف با استفاده از 11 آغازگر ISSR بیشترین مقدار شاخص محتوای اطلاعات چند شکل PIC مربوط به آغازگر UBC-848 بود. تجزیه خوشه ای بر اساس ضریب تشابه دایس نشان داد که بیشترین ضریب تشابه بین ژنوتیپهای 21 و 19 و کمترین ضریب تشابه بین ژنوتیپهای 25 (سرداری) و 8 بود. همچنین بر اساس الگوهای بانندی بدست آمده، ژنوتیپ گندم نان مورد استفاده در این تحقیق در گروه کاملاً جداگانه‌ای نسبت به سایر ژنوتیپهای گندم دوروم دسته بندی گردید.

کلمات کلیدی:

گندم دوروم، تنوع ژنتیکی، مارکر ISSR

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/328444>

