

## عنوان مقاله:

مطالعه تنوع ژنتیکی ژنوتیپهای مرکبات با استفاده از نشانگر رتروترانسپوزونی IRAP

## محل انتشار:

اولین کنگره بین المللی و سیزدهمین کنگره ژنتیک ایران (سال: 1393)

تعداد صفحات اصل مقاله: 5

## نویسندگان:

هاجر عابدین پور - دانشجوی کارشناسی ارشد بیوتکنولوژی کشاورزی

غلامعلی رنجبر - دانشیار دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی ساری

نادعلی بابائیان جلودار - استاد دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی ساری

بهروز گلچین - دانشیار موسسه تحقیقات مرکبات کشور (رامسر)

## خلاصه مقاله:

رتروترانسپوزونها عناصر ژنتیکی متحرکی هستند که انتقال آنها به صورت mRNA حد واسط صورت میگیرد. توزیع زیاد، تعداد کمی بالا، گستردگی رتروترانسپوزونها در گیاهان، پتانسیل بسیار عالی برای توسعه سیستمهای متعدد نشانگر مبتنی بر DNA فراهم میکند. به منظور ارزیابی الگوی تنوع ژنتیکی 29 ژنوتیپ مرکبات با استفاده از 5 آغازگر رتروترانسپوزونی مورد تجزیه و تحلیل قرار گرفتند. در بیشترین و کمترین تشابه ژنتیکی بین 0/34 و 0/90 بین ژنوتیپهای پوملو G16 و نارنگی دانسی G12 و بیشترین شباهت 0/90 بین دو تیپ طبیعی ناشناخته G63 و پرتقال سیورز 3 G6 می باشد. میانگین تشابه بین کل ژنوتیپها نیز برابر 0/65 بدست آمد. تعیین تنوع ژنتیکی در مرکبات، اطلاعات مفیدی را برای برنامه های بهنژادی، انتخاب و حفظ ارقام فراهم می کند

## کلمات کلیدی:

تجزیه خوشهای، تنوع ژنتیکی، ماتریس تشابه، مرکبات، IRAP

## لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/328506>

