

عنوان مقاله:

ارزیابی تنوع ژنتیکی ژنوتیپهای گلابی غرب ایران با استفاده از نشانگر RAPD

محل انتشار:

اولین کنگره بین المللی و سیزدهمین کنگره ژنتیک ایران (سال: 1393)

تعداد صفحات اصل مقاله: 5

نویسندگان:

هدا بشیری - دانشجوی کارشناسی ارشد پردیس کشاورزی و منابع طبیعی دانشگاه رازی کرمانشاه

کیانوش چقامیرزا - دانشیار پردیس کشاورزی و منابع طبیعی دانشگاه رازی کرمانشاه

عیسی ارجی - استادیار پردیس کشاورزی و منابع طبیعی دانشگاه رازی کرمانشاه

خلاصه مقاله:

گلابی بعنوان دومین میوه مهم بعد از سیب در جهان، بومی غرب آسیا و شرق اروپا شناخته شده است. در رابطه با ژرمپلاسم گلابی میتوان گفت کشور ایران از مراکز تنوع گونههای *P. glabra*، و *P. syriaca*، *P. salicifolia*، *P. amygdaliformis*، *P. communis* در جهان محسوب میشود. بنابراین بررسی تنوع این مجموعه از اهمیت بالایی برخوردار است. در این تحقیق به منظور بررسی تنوع ژنتیکی گلابیهای غرب ایران تعداد 128 ژنوتیپ و 12 رقم از 54 منطقه استانهای کرمانشاه، کردستان، ایلام و موسسه اصلاح و تهیه نهال و بذر کرج جمعآوری شدند و مطالعات مولکولی در آزمایشگاه بیوتکنولوژی گروه زراعت و اصلاح نباتات دانشکده علوم و مهندسی کشاورزی دانشگاه رازی کرمانشاه در سال 90-92 انجام شد. جهت ارزیابی تنوع ژنتیکی ژنوتیپهای گلابی مورد مطالعه، با استفاده از روش مولکولی از نشانگر RAPD استفاده گردید. از تعداد 25 آغازگر RAPD مورد استفاده 15 آغازگر چندشکلی نشان دادند. در مجموع 217 قطعه تشکیل شده 206 قطعه چندشکلی نشان دادند و درصد چند شکلی متوسط 43/28 بود، همچنین اندازه باندها بین 250 تا 2400 جفت باز متغیر بود. در تجزیه خوشهای بر اساس نشانگر RAPD از ضریب تشابه جاکارد و روش بوت استرپ استفاده شد که ژنوتیپها به 56 گروه تقسیم شدند چندشکلی موجود در بین ژنوتیپهای گلابی مورد بررسی میتواند به نوعی تاییدکننده نظر دانشمندی باشد که ایران را خاستگاه و موطن اصلی گلابی میدانند

کلمات کلیدی:

تجزیه خوشهای، تنوع ژنتیکی، غرب ایران، گلابی، نشانگر مولکولی RAPD

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/328818>

