

## عنوان مقاله:

بررسی چند آنتی ژن سرطان/بیضه به عنوان بیومارکرهای ملکولی برای پیشبینی فنوتیپ بدخیم تومور سینه

## محل انتشار:

اولین کنگره بین المللی و سیزدهمین کنگره ژنتیک ایران (سال: 1393)

تعداد صفحات اصل مقاله: 1

## نویسندگان:

علیرضا انوشیروانی - دانشکده علوم، دانشگاه آزاد اسلامی واحد علوم و تحقیقات زنجان، زنجان، ایران

رامیار مولانیا - گروه بیوتکنولوژی پزشکی، پژوهشگاه ملی مهندسی ژنتیک و زیست فناوری، تهران، ایران.

## خلاصه مقاله:

سرطان سینه دومین عامل مرگ و میر در بین زنان در دنیا محسوب میگردد. تشخیص دقیق و بهموقع مراحل مختلف از جمله فنوتیپ تهاجمی سرطان در درمان و مدیریت بیماری نقش بسزایی ایفا میکند. امروزه بیومارکرهای مختلفی برای پیش آگهی و تشخیص فنوتیپ بدخیم تومور از جمله متاستاز آن شناسایی شده اند که اغلب آنها فاقد ویژگی مختص تومور هستند. از مهم ترین بیومارکرها آنتی ژن های سرطان/بیضه میباشد که بیان آنها انواع مختلف سرطان ها دیده میشود و بیان آنها در بافت نرمال به بافت بیضه محدود میگردد. در این مطالعه 5 آنتی ژن سرطان/بیضه برای شناسایی ملکولی مراحل مختلف سرطان و فنوتیپ بدخیم تومور از جمله متاستاز سرطان سینه مورد استفاده قرار گرفت. 100 نمونه ی پارافین شده بافت تومورال سینه برای استخراج RNA و سپس سنتز cDNA جمع آوری گردید. بیان یا عدم بیان این آنتیژن ها در نمونه های مختلف توسط تکنیک ملکولی RT-PCR مورد آنالیز قرار گرفت. ارتباط بین داده های بیان ژن و فاکتور های ریسک کلینیکی از جمله فنوتیپ متاستازی تومور با استفاده از تست ها آماری پیرسون و فیشر مورد بررسی قرار گرفت (مقدر P کمتر از 0,05 معنی دار در نظر گرفته شد) همچنین با استفاده از داده های مختلف (بیان ژنها و پارامترهای کلینیکی) و تست آماری رگرسیون متاستاز تومور سرطان سینه مدل سازی شد و حساسیت مدل 85 درصد محاسبه گردید

## کلمات کلیدی:

سرطان سینه، آنتی ژن های سرطان ، بیضه ، RT-PCR

## لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/328878>

