

عنوان مقاله:

بررسی تنوع ژنتیکی در ژنوتیپ های یولاف با استفاده از نشانگر مولکولی SSR

محل انتشار:

اولین همایش ملی گیاهان دارویی، طب سنتی و کشاورزی ارگانیک (سال: 1393)

تعداد صفحات اصل مقاله: 11

نویسندگان:

رویا برزین - گروه بیوتکنولوژی کشاورزی، دانشگاه آزاد اسلامی واحد دامغان، ایران، دامغان

حسین عباسپور - استادگروه بیوتکنولوژی، عضو هیئت علمی دانشگاه آزاد اسلامی واحد دامغان، ایران، دامغان

خلاصه مقاله:

به منظور بررسی تنوع ژنتیکی در 16 ژنوتیپ یولاف با استفاده از نشانگر مولکولی و 10 جفت آغازگر SSR تحقیقی صورت گرفت. نتایج تجزیه واریانس نشان داد که بین همه ی ارقام از نظر کلیه صفات، تفاوت معنی داری وجود دارد که نشان دهنده تنوع ژنتیکی بالا برای صفات مورد بررسی در بین ژنوتیپ ها بود. تنوع مولکولی ارقام با استفاده از پارامترهای محتوای اطلاعات چند شکلی، تعداد آلل مؤثر و شاخص شانون اندازه گیری شد و میانگین 48/81 نار SSR به دست آمد که از این میان 20/62 نوار چند شکل بودند. متوسط تعداد نوارهای چند شکلی از 1/81 تا 2/31 برای هر آغازگر متغیر بود. به ترتیب، بیشترین و کمترین نوار چند شکل مربوط به آغازگر Bmac0040 با 2/31 نوار و آغاز گر Gms001 با 1/81 نوار بود. همچنین متوسط بیشترین نوار 5/9 مربوط به ارقام Possum و کمترین نوار (3/0) مربوط به رقم CN12497 بود. طبق نتایج حاصل از این آزمایش، نشانگرهای SSR مورد استفاده، ارتباط ژنتیکی و همبستگی با جایگاه های کنترل کننده ی صفات اندازه گیری شده نداشتند. در واقع از آن جایی که نشانگرهای SSR عمدتاً در نواحی غیرکد کننده ژنوم قرار دارند، عدم ارتباط بین گروه بندی داده های نشانگرهای مولکولی با داده های مورفولوژیکی دور از انتظار نیست.

کلمات کلیدی:

آلل مؤثر، تنوع ژنتیکی، مؤلفه های اصلی، نشانگرهای SSR، یولاف

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/329851>

