

عنوان مقاله:

بررسی تنوع ژنتیکی ارقام مختلف انگور Vitis vinifera با استفاده از نشانگر مولکولی ISSR

محل انتشار:

اولین کنفرانس بین المللی مهندسی محیط زیست (سال: 1393)

تعداد صفحات اصل مقاله: 7

نویسندگان:

عطیه خلخالی - دانشجوی کارشناسی ارشد گروه بیوتکنولوژی دانشگاه آزاد اسلامی دامغان

حسین عباسپور - دانشیار گروه بیوتکنولوژی دانشگاه آزاد اسلامی دامغان

جعفرمسعود سینکی - استاد یار گروه بیوتکنولوژی دانشگاه آزاد اسلامی دامغان

فاطمه خلخالی - استاد یار گروه بیوتکنولوژی دانشگاه آزاد اسلامی دامغان

خلاصه مقاله:

تشخیص دقیق و مطمئن ژنوتیپ های گیاهی به خصوص درختان میوه در اجرای برنامه تنوع ژنتیکی و ارزیابی ارقام مطرح انگور (Vitis vinifera) در سطح مولکولی با استفاده از نشانگر ISSR انجام شد. به منظور استخراج DNA از روش تغییر یافته Doyle and Doyle استفاده شد و در گام بعد 12 ژنوتیپ با 12 آغازگر مورد بررسی قرار گرفتند. تجزیه خوشه ای با دو نرم افزار PopGen32 و SPSS9 انجام شد. خوشه بندی حاصل با هردو نرم افزار واریته ها را در 5 گروه مجزا قرار داد. در تجزیه داده های بدست آمده درصد پلی مرفیسم 96/49% و تعداد لوکوس پلی مرف 55 است. ضریب کوفتتیک برای ضریب تشابه جاکارد و نی، 0/8 است که نشان دهنده برازش خوب بین دندروگرام و ماتریس شباهت اصلی است. باندهایی که به طور واضح قابل مشاهده بود مورد بررسی قرار گرفت. در مجموع 353 باند توسط این نشانگر ها تولید شد. اندازه باندها بین 200 تا 3000 جفت باز متغیر بود. در این بین بیشترین تشابه برای واریته های 1 (سبز شاه پسند) و 7 (خلیلی بیدانه قوچان) با مقدار 0/619 است و کمترین تشابه برای واریته های 10 (پیرقلی شماره 2) و 2 (مال کاشمر) با مقدار 0/205 است. همچنین بیشترین میزان باند مربوط به a؛ (56 باند) بنابراین، این آغازگر بهتر از سایر آغازگرها توانسته فاصله ژنتیکی واریته های مربوط به آغازگر مشخص کند.

کلمات کلیدی:

انگور، مارکر مولکولی، تنوع ژنتیکی، آنالیزهای استاتیک

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/348015>

