

## عنوان مقاله:

ایجاد نقشه ژنتیکی با تراکم بالای نشانگرهای مولکولی DArT و SSR در گندم نان (*Triticum aestivum* L)

## محل انتشار:

هفتمین همایش بیوتکنولوژی جمهوری اسلامی ایران (سال: 1390)

تعداد صفحات اصل مقاله: 6

## نویسنده:

علی ایزانلو - استادیار گروه زراعت و اصلاح نباتات، دانشکده کشاورزی، دانشگاه بیرجند بیرجند، کیلومتر ۵ جاده کرمان، پردیس امیرآباد-  
دانشکده کشاورزی

## خلاصه مقاله:

نقشه لینکاژی بر اساس نشانگرهای مولکولی ابزار مهمی در تجزیه ژنتیکی بوده و یک پیشنیاز ضروری برای مطالعه توارث صفات کیفی و کمی است. در این مطالعه، نقشه ژنتیکی جمعیت هاپلوئید مضاعف 1 شامل 368 لاین بدست آمده از تلاقی بین دو رقم گندم RAC 875 و Kukri ایجاد گردید. نقشه ژنتیکی ایجاد شده دارای حدود 500 نشانگر مولکولی شامل تقریباً 300 نشانگر دارت 2 و 200 نشانگر ریزماهواره 3 بود. کل طول نقشه برای تمام گروه های لینکاژی حدود 3156.7 سانتی مورگان بود. این نقشه برای تعیین مکان ژنتیکی صفات کمی 4 مرتبط با صفات فنولوژیکی، فیزیولوژیکی و صفات زراعی مرتبط با تحمل به تنشهای غیر زیستی نظیر شوری، خشکی و گرما و همچنین مقاومت به تنشهای زیستی مثل بیماریها و آفات مورد استفاده قرار خواهد گرفت.

## کلمات کلیدی:

نقشه لینکاژی، گندم، هاپلوئید مضاعف، نشانگر مولکولی

## لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/375459>

