

عنوان مقاله:

آنالیز مولکولی گیاهان تراریخته کلزا حاوی ژن BnFUL

محل انتشار:

هفتمین همایش بیوتکنولوژی جمهوری اسلامی ایران (سال: 1390)

تعداد صفحات اصل مقاله: 6

نویسندگان:

سمیرا کهک - دانشجوی کارشناسی ارشد اصلاح نباتات دانشگاه زنجان

علی محمد شکیب - دانشیار پژوهشکده بیوتکنولوژی کشاورزی ایران

جلال صبا - استادیار دانشکده کشاورزی دانشگاه زنجان

سیامک اسدی - کارشناس ارشد پژوهشکده بیوتکنولوژی کشاورزی ایران

خلاصه مقاله:

کلزا یکی از گیاهان مهم روغنی می باشد که در سال های اخیر کشت آن در ایران توسعه زیادی پیدا کرده است. یکی از مشکلات کلزا ریزش دانه قبل و در حین برداشت است که بسته به شرایط آب و هوایی تا 50 درصد باعث کاهش محصول می گردد. تولید گیاهان متحمل به ریزش دانه می تواند موجب افزایش عملکرد گردد. عوامل ژنتیکی و محیطی متعددی ب رروی این صفت اثر دارند. از جمله عوامل ژنتیکی در پژوهشکده بیوتکنولوژی کشاورزی BnFUL در این گیاهان می باشد. گیاهان تراریخته کلزا از سه رقم مختلف حاوی ژن FUL وجود ژن انجام realtime-PCR لکه گذاری سادرن و PCR، با استفاده از آزمون نهایی T ایران تهیه شدند. بررسی مولکولی گیاهان تراریخته در نسل 2 وارد شده نیز در این نسل در گیاهان تراریخته وجود BnFUL نشان داد که علاوه بر ژن داخلی موجود در گیاه، ژن PCR گرفت. آزمون دارد. تعداد کپی ژن در گیاهان تراریخته و شاهد با استفاده از آزمون لکه گذاری سادرن تعیین گردید و نشان داد که در گیاهان تراریخته نشان داد که به طور کلی بیان ژن در گیاهان تراریخته realtime-PCR علاو هبر ژن داخلی گیاه، حداقل یک کپی از تراژن وجود دارد. آزمون افزایش یافته است. میزان افزایش بیان ژن در گیاهان تراریخته دارای اختلاف معن یداری است که این موضوع را می توان به تعداد کپی ژن و نیز محل ورود ژن در ژنوم ارتباط داد.

کلمات کلیدی:

کلزا، تراریخته، بیان ژن، تعداد کپی

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/375844>

