

عنوان مقاله:

بررسی توالی پروتئینی جدایه‌های مختلف ویروس برونشیت عفونی ایران با تجزیه فیلوژنی

محل انتشار:

هفتمین همایش بیوتکنولوژی جمهوری اسلامی ایران (سال: 1390)

تعداد صفحات اصل مقاله: 6

نویسندگان:

مریم نصرتی - دانشجوی دکتری رشته ژنتیک و اصلاح نژاد دام، دانشگاه فردوسی مشهد

مجتبی طهمورث پور - دانشیار رشته ژنتیک و اصلاح نژاد دام، دانشگاه فردوسی مشهد

خلاصه مقاله:

بیماری برونشیت عفونی طیور یک بیماری مسری در جوجه های جوان است که علیرغم واکسیناسیون علیه آن گزارشاتی از S 13 و S 15 شیوع و ظهور ویروس جدید این بیماری در کشور مشاهده میشود. در این پژوهش توالی پروتئینی زیر واحد 1 سویه رفرنس با 15 جدایه ایرانی بدست آمده از بانک ژن مورد بررسی و مقایسه قرار گرفت. توالیها ی مورد بررسی با نرم افزار BioEdit همردیفی و ویرایش شد. ترسیم درخت فیلوژنی با نرم افزار MEGA4 و با استفاده از روش اتصال همسایه با Bootstrap 1000 ترسیم شد. نواحی بسیار متغییر در فاصله 105-56، 140-125 و 307-290 مشخص گردید. ناحیه حفاظت شده در فاصله اسیدها پآمین 242 تا 256 شناسایی شد. با ترسیم درخت فیلوژنی این 24 سویه/جدایه به چهار خوشه اصلی IR-I، IR-II، china، IR-III تقسیم شد. جدایه های IRFIBV(6,7,13,13b,20&31) در گروه استرالیایی (IR-I) و جدایه IRFIBV44 در گروه ماساچوست (IR-II) و جدایه های IR-3654 و IR-1062-GA، IR-1061-PH، IRFIBV(32, 35, 36, 41 & 43) در گروه اروپایی (IR-III) خوشه بندی شد. تشابه بین جدایه های مختلف ایران بین 70-99% بود که حداکثر آن (99%) بین جدایه های IR-1061-PH و IR-1062-GA و حداقل آن (70%) بین سویه IR-3654-VM و IRFIBV44 بود. تشابه اغلب جدایه های ایرانی با سویه های ماساچوست 70-73% بود. تشابه بین جدایه های ایران با سویه های استرالیایی 72-79% و با سویه های اروپا 89-90% بود. به نظر میرسد عدم کارایی کامل واکسن در پیشگیری از شیوع بیماری میتواند بدلیل همولوژی پایین بین جدایه های ایران و سویه های تجاری واکسن و یا ایجاد ویروس جدید در اترنوترکیبی و جهش باشد.

کلمات کلیدی:

ویروس برونشیت عفونی، توالی پروتئین، درخت فیلوژنی، همولوژی

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/375864>

