

عنوان مقاله:

گروه بندی توتون های شرقی و نیمه شرقی ایران با استفاده از نشانگرهای مولکولی SSR

محل انتشار:

هفتمین همایش بیوتکنولوژی جمهوری اسلامی ایران (سال: 1390)

تعداد صفحات اصل مقاله: 6

نویسندگان:

لیلا میرزائی - گروه زیست شناسی، دانشکده علوم، دانشگاه ارومیه -

رضا درویش زاده - گروه زراعت و اصلاح نباتات، دانشکده کشاورزی، دانشگاه ارومیه

سید رضا علوی - بخش ژنتیک و اصلاح نبات تحقیقات توتون ارومیه

خلاصه مقاله:

توتون (*Nicotiana tabacum* L.) در بیشتر نقاط دنیا به عنوان یکی از مهمترین محصولات کشاورزی با ارزش اقتصادی بالا شناخته شده است. در این راستا ارزیابی تنوع ژنتیکی توتون در برنامه های اصلاح نژادی مهم است. در این پژوهش تنوع ژنتیکی 90 رقم توتون تیپ شرقی و نیمه شرقی با 14 نشانگر میکروساتلایت بررسی گردید. اندازه قطعات DNA حاصل بین 250 تا 350 bp بود. تعداد ال به ازای هر آغازگر 2-3 عدد و در کل حدود 35 آل مشاهده گردید. مقدار پلی مورفیسم آغازگرها بین 0.3 تا 0.6 با میانگین 0.5 بود. ضریب تشابه جاکارد برای ژنوتیپ ها بین 0 تا 0.9 متغیر بود که نشان دهنده تنوع گسترده بین ژنوتیپ ها است. الگوریتیم UPGMA بر مبنای ماتریس جاکارد، ژنوتیپ های مورد مطالعه را در 6 گروه گروه بندی نمود که برخی گروه ها شامل چندین زیر گروه بودند. نتایج حاصل نشا ندهنده کارایی بالای مارکر SSR در جداسازی و ردیابی تنوع ژنتیکی ژنوتیپ های توتون بود.

کلمات کلیدی:

تنوع ژنتیکی SSR توتونهای شرقی، به نژادی، مارکر مولکولی

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/376023>

