

عنوان مقاله:

16 ARDRA در خانواده ازتوباکتریاسه با استفاده از روش S rRNA
بررسی بیوانفورماتیکی ژن

محل انتشار:

هفتمین همایش بیوتکنولوژی جمهوری اسلامی ایران (سال: 1390)

تعداد صفحات اصل مقاله: 6

نویسندگان:

زهره مزینانی - دانشجوی کارشناسی ارشد رشته بیوتکنولوژی دانشگاه آزاد اسلامی واحد علوم و تحقیقات تهران

مهدی امین افشار - استادیار گروه علوم دامی دانشگاه علوم و تحقیقات

احمد اصغرزاد - استادیار بخش میکروبیولوژی موسسه تحقیقات خاک و آب کرج

محمد چمنی - استادیار گروه علوم دامی دانشگاه علوم و تحقیقات

خلاصه مقاله:

خانواده ازتوباکتریاسه باکتریهای مفیدی هستند که مستقیماً یا به واسطه تثبیت نیتروژن مولکولی، منجر به بهبود تغذیه و 16 در باکتریها عمومیت دارد، روابط ژنتیکی میان اعضای خانواده ازتوباکتریاسه S rRNA رشد گیاه میشوند. از آن جایی که ژن 16 در قالب دادههای S rRNA توسط ژن مذکور بررسی شد. در این تحقیق، پس از جمع آوری توالیهای مربوط به ژنواهی اتصال آغازگر مشخص گردید. بهمینطور تعیین الگوهای برشی و ارزیابی تعداد و انتقال آن به نرمافزار 2 مورد OLIGO 1495، توسط برنامه 27 r و f اندازه قطعات حاصل از هضم، توالی منطقه قابل تکثیر هر ژن توسط جفتآغازگر قرار گرفته و بر اساس نتایج حاصل، دندروگرام مربوط ترسیم شد. نتایج به Hpa

کلمات کلیدی:

16S rRNA ازتوباکتریاسه، تنوع ژنتیکی، درخت فیلوژنتیک، ژن

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/376290>

