

عنوان مقاله:

بررسی تنوع ژنتیکی در جنس ختمی (Alcea) با استفاده از مارکر مولکولی ISSR

محل انتشار:

هفتمین همایش بیوتکنولوژی جمهوری اسلامی ایران (سال: 1390)

تعداد صفحات اصل مقاله: 6

نویسندگان:

نسیبه بدرخانی - دانشجوی کارشناسی ارشد دانشگاه ارومیه، دانشکده علوم، گروه زیست شناسی

فاطمه رحمانی - استاد یار دانشگاه ارومیه، دانشکده علوم، گروه زیست شناسی

مژگان لارتی - کارشناس ارشد پژوهشی مرکز تحقیقات کشاورزی و منابع طبیعی ارومیه

خلاصه مقاله:

در این مطالعه، روابط ژنتیکی بین 11 گونه و 8 واریته از Alcea توسط مارکر مولکولی ISSR مورد تحقیق واقع شد. همه ی نمونه ها از استان آذربایجان غربی جمع آوری شدند. 8 پرایمر RAPD استفاده شده 176 باند قابل شمارش ایجاد کردند که 174 عدد از این باندها پلی مورف بودند. اندازه ی قطعات DNA تکثیر شده بین 100 - 3000 bp متغیر بود. آنالیز خوشه ای UPGMA بر اساس حضور و یا عدم حضور باندها محاسبه شد. دامنه ی ضریب تشابه Dice نسبتا بالا و از حداقل 0/14 تا حداکثر 0/77 متغیر بود. نمودار دندروگرام با کمک نرم افزار NTSYSpc2.02 رسم شد و 3 خوشه ی اصلی آشکار شد. خوشه ی دوم به 2 زیر گروه تقسیم شده بود. این نتایج نشان میدهد که مارکر RAPD ابزاری مفید برای ارزیابی تنوع ژنتیکی و رابطه ی بین گونه های مختلف Alcea می باشد.

کلمات کلیدی:

ختمی، تنوع ژنتیکی، مارکر مولکولی ISSR، پلی مورفیسم، ضریب تشابه Dice

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/376489>

