

عنوان مقاله:

بررسی تنوع ژنتیکی زیرواحدهای سنگین گلوتنن در برخی از گندم های دوروم ایران با استفاده از نشانگرهای اختصاصی

محل انتشار:

هشتمین همایش بیوتکنولوژی جمهوری اسلامی ایران و چهارمین همایش ملی امنیت زیستی (سال: 1392)

تعداد صفحات اصل مقاله: 4

نویسندگان:

الهام صبوری رباط - دانشجوی کارشناسی ارشد بیوتکنولوژی گیاهی، دانشگاه زابل

یعقوب شیری - دانشجوی کارشناسی ارشد بیوتکنولوژی گیاهی، دانشگاه زابل

محمود سلوکی - دانشیار گروه اصلاح نباتات و بیوتکنولوژی دانشگاه زابل

سارا سعیدی گراغانی - دانشجوی کارشناسی ارشد اصلاح نباتات، دانشگاه زابل

خلاصه مقاله:

آگاهی از تنوع ژنتیکی نقش مهمی در حفاظت و اصلاح گیاهان زراعی دارد، که به این منظور، در این تحقیق 30 ژنوتیپ مختلف گندم دوروم، با استفاده از 3 جفت آغازگر اختصاصی مربوط زیر واحدهای سنگین ژن گلوتنن مطالعه و بررسی گردید. نتایج تحقیق نشان داد که ژنوتیپ های مورد مطالعه از نظر زیر واحدهای سنگین ژن گلوتنن، تنوع قابل ملاحظه ای را نشان می دهند. تجزیه خوشه ای به روش UPGMA انجام شد. و در ضریب تشابه 0/62 براساس روش جاکارد ارقام به هشت گروه اصلی تفکیک شدند. نتایج نشان داد که به جز چند مورد استثناء بین منشا جغرافیایی و الگوی ژنی مطالعه شده همبستگی وجود دارد.

کلمات کلیدی:

گندم دوروم (Triticum turgidum var durum)، تنوع ژنتیکی، گلوتنن

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/376831>

