

عنوان مقاله:

مهندسی گلیکوزیلاسیون اریتروپوئیتین به منظور بهبود خصوصیات درمانی دارو

محل انتشار:

هشتمین همایش بیوتکنولوژی جمهوری اسلامی ایران و چهارمین همایش ملی امنیت زیستی (سال: 1392)

تعداد صفحات اصل مقاله: 5

نویسندگان:

انورسادات کیان مهر - گروه تحقیقات ژنتیک و متابولیسم

حمید شهباز محمدی - گروه تحقیقات ژنتیک و متابولیسم

محمد علی شکرگزار - گروه تحقیقات فناوری های نوین- انستیتوی پاستور ایران، تهران

فریدون مهبودی - گروه تحقیقات فناوری های نوین- انستیتوی پاستور ایران، تهران، ایران

خلاصه مقاله:

هدف از این مطالعه مهندسی آنالوگ هایپیر گلیکوزیله شده جدیدی از اریتروپوئیتین با جایگاه های مناسب برای گلیکوزیلاسیون از طریق ابزارهای بیوانفورماتیکی بود. پیش بینی مکان های وقوع گلیکوزیلاسیون توسط پایگاه NetNGlyc انجام شد. مدل سه بعدی این آنالوگ (کاپیوئیتین) با کمک برنامه مدل سازی مشابه ساخته شد و ارزیابی بهترین مدل به دست آمده توسط ترسیم نقشه رامچاندرا صورت گرفت. مدل سه بعدی طراحی شده همراه با گروه های قندی متصل به آن در پایگاه GlyProt ساخته شد و ارزیابی پروتئین مهندسی شده با کمک برنامه GROMACS انجام شد. توالی مهندسی شده واجد شش جایگاه برای N- گلیکوزیلاسیون بود. در بهترین مدل سه بعدی آنالیز شده توسط نقشه رامچاندرا، 81.6% زیر واجد ها در مطلوب ترین ناحیه، 15.6% در نواحی مجاز دیگر، 1/4% در نواحی که به سختی مجازاند و 1.4% در بخش های غیر مجاز قرار داشتند. مدل مذکور این اطمینان را داد که اکثر زیرواجد ها با توزیع پایدار-phi و psi قابل اعتماد برای آنالیز بیشتر است. در پایان روش های گوناگون ارزیابی مدل نشان داد که نسخه مهندسی شده اریتروپوئیتین بطور قابل توجهی دارای شکل و ویژگی های قابل قبول برای مطالعات بالینی بود و می توان آن را گزینه مناسبی جهت بهبود خصوصیات دارویی اریتروپوئیتین در نظر گرفت. تمامی این مطالعه با استفاده از تکنیک های in silico انجام گردید. کارهای بیشتر در مورد این مطالعه در حال انجام است.

کلمات کلیدی:

اریتروپوئیتین، گلیکوزیلاسیون، in silico

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/377355>

