سیویلیکا - ناشر تخصصی مقالات کنفرانس ها و ژورنال ها
گواهی ثبت مقاله در سیویلیکا
CIVILICA.com

عنوان مقاله:
معرفی ژن های مرجع برای تجزیه و تحلیل qRT-PCR در بافت های مختلف گونه های Artemisia annua و Artemisia sieberi

محل انتشار:
هشتمین همایش بیوتکنولوژی جمهوری اسلامی ایران و چهارمین همایش ملی امنیت زیستی (سال: 1392)

تعداد صفحات اصل مقاله: 5

نویسندگان:
اعظم موسوی - *دانشجوی کارشناسی ارشد بیوتکنولوژی کشاورزی، دانشکده کشاورزی، دانشگاه صنعتی اصفهان*

مجید طالبی - *عضو هیئت علمی گروه بیوتکنولوژی کشاورزی، دانشکده کشاورزی، دانشگاه صنعتی اصفهان*

بدرالدین ابراهیم سید طباطبایی - *عضو هیئت علمی گروه بیوتکنولوژی کشاورزی، دانشکده کشاورزی، دانشگاه صنعتی اصفهان*

خلاصه مقاله:
دردهه های اخیر Artemisia annua به خاطر دارا بودن آرتمیزیتین که خاصیت ضدمالاریایی دارد، توجه زیادی را به خود جلب کرده است. به جهت بررسی میزان تغییرات بیان ژن های تولید کننده آرتمیزینین، از واکنش زنجیره ای پلیمراز کمی در زمان حقیقی استفاده می گردد. به منظور کنترل خطاهای مراحل مختلف واکنش Real time PCR ، انتخاب روش دقیقی برای نرمال سازی اهمیت دارد که در این میان، استفاده از ژن های خانه دار به عنوان کنترل کننده های داخلی در آنالیزبیان ژن عمومیت دارد. در مطالعه حاضر ثبات بیان هفت ژن ,ubq،EF1α ,act ,18s rRNA ,pal ,cpr و rsp9 در بافت های مختلف گونه های A. annua و A. sieberi بررسی شد. پس از استخراج RNA از سه بافت برگ، ساقه و ریشه، ساخت cDNA انجام گرفت. داده های حاصل از واکنش Real time PCR به وسیله نرم افزار NormFinderمورد تجزیه و تحلیل قرارگرفت. نتایج حاصل نسان داد که در میان بافت های گونه A. annua ، ژن های cpr ، pal و act معتبر ترین ژن های کنترل داخلی هستندو در گونه A. sieberi ژن 18S rRNA به عنوان ژن مرجع مناسب معرفی گردید. این نتایج نشان می دهند که ژن های خانه دار به صورت کاملا متفاوتی در بین گونه های مختلف گیاهی تنظیم می شوند و الگوی بیانی متفاوتی دارند و اعتبار سنجی آن ها قبل از استفاده ضروری به نظر می رسد.

کلمات کلیدی:
واکنش زنجیره ای پلیمراز کمی در زمان حقیقی، نرمال سازی، A. Sieberi ، Artemisia annua

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:
https://civilica.com/doc/377622