

## عنوان مقاله:

اثر افزایش قابل توجه تعداد حیوانات گروه مرجع در نسل های نزدیک و دور بر صحت ارزیابی ژنومیک گروه تایید برای صفاتی با وراثت پذیری متوسط

## محل انتشار:

اولین همایش ملی پدافند غیر عامل در بخشهای کشاورزی، منابع طبیعی و محیط زیست با رویکرد توسعه پایدار (سال: 1394)

تعداد صفحات اصل مقاله: 5

## نویسنده:

آزاده بوستان - استادیار گروه علوم دامی اردبیل، دانشگاه محقق اردبیلی، دانشکده کشاورزی و منابع طبیعی مغان، گروه علوم دامی

## خلاصه مقاله:

انتخاب ژنتیکی در جمعیت‌های حیوانات اهلی و خصوصا در برنامه های اصلاح نژادی گاو شیری، می تواند بر اساس تخمین ارتباط بین تعداد زیاد نشانگر SNP و اطلاعات فنوتیپی انجام شود. این تکنولوژی جدید انتخاب ژنومیک نامیده می شود و باعث ایجاد انقلابی در برنامه های اصلاح نژادی گاو شیری شده است. در این مطالعه برای هر حیوان ژنومی متشکل از 3 کروموزوم هریک با 1000 نشانگر SNP که با فواصل مساوی از یکدیگر قرار گرفته بودند شبیه سازی شد. تلاقی تصادفی برای 50 نسل در یک جمعیت محدود (100 حیوان) انجام شد. در نسل 51 اندازه جمعیت به 250 حیوان در استراتژی اول و 2500 حیوان در استراتژی دوم افزایش یافت و این ساختار تا نسل 55 ادامه یافت. حیوانات نسل 5 جوان، فاقد رکورد و کاندیدای انتخاب بودند. نتایج نشان داد که افزایش تعداد حیوانات در جمعیت پایه در هر صورت باعث افزایش صحت ارزیابی ژنومیک می شود ولی این افزایش در شرایطی که حیوانات از نسلهای دور مورد استفاده قرار می گیرند بیشتر خواهد بود.

## کلمات کلیدی:

انتخاب ژنومیک، شبیه سازی، جمعیت پایه، صحت ارزیابی

## لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/440544>

